



รายงานการวิจัย

เรื่อง การรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรียทนอุณหภูมิสูง
Reduction of chromate by thermotolerant bacterium

ผู้วิจัย

ผศ. ดร. ปราณิ พัฒนพิพิธไพศาล

คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยอุบลราชธานี

โครงการวิจัยนี้ได้รับทุนอุดหนุนการวิจัยจากสำนักงานงบประมาณแผ่นดิน
ประจำปีงบประมาณ 2547

การรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรียทนอุณหภูมิสูง
Reduction of chromate by thermotolerant bacterium

Abstract

Seventeen isolates of thermotolerant chromate-reducing bacteria were isolated from soil- and water samples from Khumphun silk weaver factory, Ubon Ratchathani and soil samples from Phanthalung. All isolates were cultured in acetate minimal medium (AMM) supplemented with $100 \mu\text{M CrO}_4^{2-}$ at 40°C for 72 hour in aerobic and anaerobic conditions. The bacteria reduce Cr(VI) aerobically and anaerobically but anaerobic Cr(VI) reduction showed a higher rate except isolate NTR 11 and 12. The culture of isolate NTR 6(2), NTR 9, NTR 8, NTR 6(1) have a high rate of anaerobic Cr(VI) reduction and using isolate NTR9 for further study. Chromate reduction by isolate NTR9 was observed at pH 6-9 and at temperature of $30-55^\circ\text{C}$ and the optimal condition took place at pH 7 and 40°C . Higher chromate reduction were obtained with higher initial cell concentration. Isolate NTR9 was identified by 16S rRNA sequencing analysis as a *Bacillus fusiformis*.

Key words : chromate, chromate-reducing thermotolerant bacteria

บทคัดย่อ

การคัดแยกแบคทีเรียทนอุณหภูมิสูงที่มีประสิทธิภาพในการรีดิวส์โครเมต โดยทำการเก็บตัวอย่างดินและน้ำจากโรงงานทอผ้าไหมคำปุ่น จังหวัดอุบลราชธานีและตัวอย่างดินพรุ จังหวัดพัทลุง สามารถแยกเชื้อบริสุทธิ์ได้ทั้งสิ้น 17 ไอโซเลท เมื่อนำมาศึกษาประสิทธิภาพการรีดิวส์โครเมต โดยเฉพาะเลี้ยงในอาหารเลี้ยงเชื้อ acetate minimal medium (AMM) ที่มีความเข้มข้นของโซเดียมโครเมตเท่ากับ 100 μM อุณหภูมิ 40 °C เป็นเวลา 72 ชั่วโมง ภายใต้สภาวะมีออกซิเจนและไร้ออกซิเจน พบว่าแบคทีเรียที่คัดแยกได้สามารถรีดิวส์โครเมตได้ทั้งสองสภาวะ แต่ประสิทธิภาพการรีดิวส์โครเมตภายใต้สภาวะไร้ออกซิเจนสูงกว่าสภาวะมีออกซิเจน ยกเว้นไอโซเลท NTR 11 และ NTR 12 แบคทีเรียที่มีประสิทธิภาพในการรีดิวส์โครเมตได้ดีภายใต้สภาวะไร้ออกซิเจนคือ ไอโซเลท NTR 6(2), NTR 9, NTR 8, NTR 6(1) และใช้ไอโซเลท NTR9 ในการศึกษาสภาวะเหมาะสมพบว่าไอโซเลท NTR 9 รีดิวส์โครเมตในช่วง pH 6-9 และช่วงอุณหภูมิ 30-55 °C โดยรีดิวส์ได้ดีที่สุดที่ pH 7 และอุณหภูมิ 40 °C การรีดิวส์โครเมตของไอโซเลท NTR9 ขึ้นอยู่กับความหนาแน่นของเซลล์เริ่มต้น เมื่อนำไปจำแนกชนิดโดยวิธี 16S rRNA sequencing analysis พบว่าไอโซเลท NTR9 เป็นแบคทีเรีย *Bacillus fusiformis*

คำสำคัญ : โครเมียม, โครเมต, แบคทีเรียรีดิวส์โครเมต

กิตติกรรมประกาศ

งานวิจัยนี้ได้รับทุนอุดหนุนการวิจัย (งบประมาณแผ่นดิน) ประจำปีงบประมาณ พ.ศ. 2547 ผู้วิจัยขอขอบคุณนางสาวนัฐธิดา บุญรับและนางสาวทิพย์มณฑา ฤกษ์ใหญ่ ที่ให้ความช่วยเหลือในการวิเคราะห์ข้อมูล ขอขอบคุณโรงงานทอผ้าไหมคำปุ่น จังหวัดอุบลราชธานี ที่กรุณาเอื้อเฟื้อสถานที่และให้อำนวยความสะดวกในการเก็บตัวอย่าง และขอขอบคุณคณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยอุบลราชธานี ที่ให้อำนวยความสะดวกเครื่องมือและสถานที่สำหรับทำงานวิจัยในครั้งนี้

สารบัญตาราง

	หน้า
ตารางที่ 1 ชนิดของตัวอย่างและปริมาณโครเมตที่เหลือ	14
ตารางที่ 2 ชนิดของตัวอย่างและลักษณะของแบคทีเรียที่แยกได้	14
ตารางที่ 3 การเจริญของแบคทีเรีย isolate NTR9 ในอาหารเลี้ยงเชื้อAMM ที่ปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างระดับต่าง ๆ	19
ตารางที่ 4 การรื้อทิวส์โครเมตโดยแบคทีเรีย isolate NTR9 ในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ที่ปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างระดับต่าง ๆ	19
ตารางที่ 5 การเจริญของแบคทีเรีย isolate NTR9 ที่อุณหภูมิต่าง ๆ	22
ตารางที่ 6 การรื้อทิวส์โครเมตโดยแบคทีเรีย isolate NTR9 ที่อุณหภูมิต่าง ๆ	24
ตารางที่ 7 การเจริญของแบคทีเรีย isolate NTR9 ที่ความหนาแน่นเซลล์เริ่มต้น ระดับต่าง ๆ	25
ตารางที่ 8 การรื้อทิวส์โครเมตโดยแบคทีเรีย isolate NTR9 ที่ความหนาแน่นเซลล์ เริ่มต้นระดับต่าง ๆ	25

สารบัญภาพ

หน้า

ภาพที่ 1	การเจริญของแบคทีเรียเมื่อเพาะเลี้ยงในอาหาร AMM ภายใต้สภาวะมือออกซิเจน	15
ภาพที่ 2	การเจริญของแบคทีเรียเมื่อเพาะเลี้ยงในอาหาร AMM ภายใต้สภาวะไร้ออกซิเจน	17
ภาพที่ 3	เปรียบเทียบเปอร์เซ็นต์การรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรีย ภายใต้สภาวะมือออกซิเจนและไร้ออกซิเจน	18
ภาพที่ 4	การเจริญของแบคทีเรีย isolate NTR9 ในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ที่ปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างระดับต่าง ๆ.....	20
ภาพที่ 5	การรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรีย isolate NTR9 ในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ที่ปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างระดับต่าง ๆ.....	21
ภาพที่ 6	การเจริญของแบคทีเรีย isolate NTR9 ที่อุณหภูมิต่าง ๆ	23
ภาพที่ 7	การรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรีย isolate NTR9 ที่อุณหภูมิต่าง ๆ.....	24
ภาพที่ 8	การเจริญของแบคทีเรีย isolate NTR9 ที่ความหนาแน่นเซลล์เริ่มต้น ระดับต่าง ๆ.....	26
ภาพที่ 9	การรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรีย isolate NTR9 ที่ความหนาแน่นเซลล์เริ่มต้น ระดับต่าง ๆ.....	27
ภาพที่ 10	PCR amplification ของ 16S rDNA product ด้วย pA และ pH' primers.....	29
ภาพที่ 11	RFLP patterns ของ 16S rDNA product เมื่อตัดด้วย <i>Sau3AI</i> และ <i>HaeIII</i>	30
ภาพที่ 12	ลำดับเบสของ 16S rDNA gene ของ positive control	31
ภาพที่ 13	การเปรียบเทียบการเข้าสู่ของลำดับเบสของ positive control isolate และลำดับเบสของ subject sequence; <i>Escherichia coli</i>	32
ภาพที่ 14	ลำดับเบสของ 16S rDNA gene ของแบคทีเรีย isolate NTR9	33
ภาพที่ 15	การเปรียบเทียบการเข้าสู่ของลำดับเบสของแบคทีเรีย isolate NTR9 และลำดับเบสของ subject sequence; <i>Bacillus forisiformis</i>	34

บทนำ

ปัญหาการปนเปื้อนของสารโลหะหนักในแหล่งน้ำ จัดเป็นปัญหาสำคัญที่ประเทศไทยกำลังประสบอยู่ สาเหตุสำคัญเกิดจากการระบายน้ำเสียจากโรงงานอุตสาหกรรมสู่แหล่งน้ำธรรมชาติ โดยมิได้ผ่านกรรมวิธีการบำบัดอย่างถูกวิธี ปัญหานี้จึงเป็นปัญหาที่นับวันจะทวีความรุนแรงขึ้น เนื่องจากประชากรของประเทศไทยส่วนใหญ่ประกอบอาชีพทางด้านเกษตรกรรม จึงมีการนำน้ำจากแหล่งธรรมชาติมาใช้ในการเพาะปลูก การประมง และการปศุสัตว์ รวมทั้งใช้ในการบริโภค หากโรงงานอุตสาหกรรมปล่อยน้ำเสียลงสู่แหล่งน้ำธรรมชาติโดยไม่มีการบำบัด จะส่งผลกระทบต่อสิ่งมีชีวิตแทบทุกชนิดเป็นวัฏจักร สารโลหะหนักที่ปนเปื้อนในน้ำเสียโรงงานอุตสาหกรรมได้แก่ปรอท, ตะกั่ว, โครเมียม, และสังกะสี เป็นต้น โดยเฉพาะโครเมียม (chromium, Cr) เป็นหนึ่งในสารโลหะหนักที่ใช้ในอุตสาหกรรมต่าง ๆ มากมาย เช่น อุตสาหกรรมการผลิตเหล็กกล้า อุตสาหกรรมการผลิตอัลลอยด์ อุตสาหกรรมการฟอกหนัง อุตสาหกรรมสิ่งทอและการผลิตเยื่อกระดาษ นอกจากนี้โครเมียมยังเป็นส่วนผสมที่สำคัญในน้ำหล่อเย็น สารดับเพลิง และสารป้องกันการนำสลายของเนื้อไม้ (Patterson, 1985)

โครเมียมที่พบโดยทั่วไปจะอยู่ในรูปไดวาเลนต์และไตรวาเลนต์โครเมียม [Cr(II) and Cr(III)] ซึ่งมีความคงตัวสูงและมีความเป็นพิษต่ำ ในขณะที่เฮกซะวาเลนต์โครเมียม [chromate, Cr(VI), CrO_4^{2-}] มีความคงตัวต่ำ ความสามารถในการละลายและความเป็นพิษสูง เฮกซะวาเลนต์โครเมียมหรือโครเมตสามารถซึมผ่านเยื่อหุ้มเซลล์ของเซลล์ยูคาริโอตและโปรคาริโอตได้ก่อให้เกิดการเปลี่ยนแปลงทางพันธุกรรม (Cervantes and Silver, 1992) โดยทำให้เกิดการผ่าเหล่าแบบ frameshift mutation และ base substitutions และที่ความเข้มข้นสูงจะยับยั้งการเจริญของแบคทีเรีย (Petrilli and De Flora, 1977) นอกจากนี้ยังมีรายงานพบว่าสารประกอบเฮกซะวาเลนต์โครเมียม ทำให้เกิดการอักเสบในช่องจมูก แผลพุพองที่ผิวหนัง รวมทั้งเป็นสาเหตุสำคัญในการเกิดโรคมะเร็งปอดและระบบทางเดินหายใจของมนุษย์อีกด้วย (Langard, 1982; Beliles, 1979; Pederson, 1982; Gibb *et al.*, 2000) ดังนั้นการปล่อยของเสียหรือน้ำเสียที่ปนเปื้อนสารประกอบโครเมียมจากโรงงานอุตสาหกรรมสู่แหล่งน้ำ จึงเป็นปัญหาสำคัญเพราะความเป็นพิษของโครเมตมีผลต่อมนุษย์และสิ่งมีชีวิตชนิดอื่น ๆ การบำบัดความเป็นพิษของโครเมต อาจทำได้โดยวิธีทางเคมีและทางชีววิทยา แต่วิธีทางเคมีต้องใช้สารเคมีเป็นจำนวนมาก สิ้นเปลืองพลังงาน และต้องอาศัยผู้เชี่ยวชาญชั้นสูง วิธีทางชีววิทยาโดยใช้แบคทีเรียที่สามารถรีดิวส์โครเมตไปเป็นไตรวาเลนต์โครเมียมซึ่งมีความเป็นพิษลดลง จึงเป็นทางเลือกหนึ่งที่มีประสิทธิภาพและลดค่าใช้จ่ายได้มากกว่า

งานวิจัยนี้มีวัตถุประสงค์ในการคัดเลือกแบคทีเรียเจริญที่อุณหภูมิสูงที่มีประสิทธิภาพในการรีดิวส์โครเมต ศึกษาสภาวะที่เหมาะสม รวมทั้งการจัดจำแนกชนิดของแบคทีเรีย ผลจากการวิจัยในครั้งนี้จะเป็นแนวทางหนึ่งในการใช้แบคทีเรียในการบำบัดสภาพแวดล้อมที่มีการปนเปื้อนสารโลหะหนักที่เป็นพิษได้อย่างมีประสิทธิภาพมากขึ้น โดยเฉพาะประเทศไทยซึ่งอยู่ในเขตร้อนชื้นอุณหภูมิโดยทั่วไปค่อนข้างสูง

การตรวจเอกสาร

โครเมียม (Chromium)

โครเมียม เป็นธาตุทรานซิชันในกลุ่ม VI-B ตามตารางธาตุ โดยล้อมรอบด้วยธาตุวานาเดียม, แมงกานีส และโมลิบดีนัม (Burrows, 1983) เลขอะตอมของโครเมียมเท่ากับ 24 และมีมวลอะตอมเท่ากับ 52.01 ไอโซโทปที่พบได้แก่ ^{50}Cr , ^{52}Cr , ^{53}Cr และ ^{54}Cr โครเมียมเป็นโลหะที่มีความแข็ง จุดหลอมเหลวสูงถึง 1857°C และจุดเดือดเท่ากับ 2672°C โครเมียมละลายได้ช้า ๆ ที่อุณหภูมิ 600°C ในสารละลายไฮโดรเจนฟลูออไรด์ (HF) ไฮโดรเจนคลอไรด์ (HCl) และไฮโดรเจนไอโอไดด์ (HI) (Shamberger, 1979)

โครเมียมอยู่ในสถานะออกซิเดชันหลายรูป ตั้งแต่ Cr^{2+} , Cr^{3+} , Cr^0 , Cr^{1+} , Cr^{2+} , Cr^{3+} , Cr^{4+} , Cr^{5+} และ Cr^{6+} ไตรวาเลนต์โครเมียม, Cr(II) , เป็นสถานะที่เสถียรที่สุดของโครเมียม ในสถานะที่เป็นกลาง Cr(OH)_3 จะตกตะกอนร่วมกับโลหะไฮดรอกไซด์หลายชนิด (Langard, 1982)

โครเมียมเป็นธาตุที่พบมากเป็นอันดับ 7 ของโลก โดยพบที่ผิวเปลือกโลก 100-300 ไมโครกรัมต่อลิตร พบในดิน 5-3,000 ไมโครกรัมต่อกรัม มีการใช้โครเมียมในโรงงานอุตสาหกรรมประมาณ 10^7 ตันต่อปี โดยใช้ในอุตสาหกรรมอัลลอยด์และเหล็กกล้า 60-70 เปอร์เซ็นต์ ใช้ในอุตสาหกรรมพอกหนัง อุตสาหกรรมสารสีและอุตสาหกรรมเคลือบโลหะประมาณ 15 เปอร์เซ็นต์

จุลินทรีย์ที่รีดิวส์โครเมต (Chromate-reducing microorganisms)

แบคทีเรียสามารถรีดิวส์โครเมตในสถานะแตกต่างกัน บางชนิดรีดิวส์โครเมตในสถานะที่มีออกซิเจน บางชนิดรีดิวส์โครเมตในสถานะไร้ออกซิเจน บางชนิดรีดิวส์โครเมตได้ทั้งสองสถานะ ตัวอย่างเช่น *Pseudomonas fluorescens* LB300 ซึ่งคัดแยกได้จากตะกอนของแม่น้ำที่ปนเปื้อนโครเมต สามารถรีดิวส์โครเมตได้ในสถานะที่มีออกซิเจน (Bopp and Ehrlich, 1988) เมื่อนำแบคทีเรียชนิดนี้มาเพาะเลี้ยงแบบครั้งคราว (batch culture) ที่อุณหภูมิ 30°C พบว่าที่ความเข้มข้นเริ่มต้นของโครเมตเท่ากับ 1.6 mM, 1.02 mM และ 0.57 mM แบคทีเรียสามารถรีดิวส์โครเมตได้เท่ากับ 61%, 69% และ 99.7% ตามลำดับ ภายในเวลา 289 ชั่วโมง สำหรับการเพาะเลี้ยงแบบต่อเนื่อง (continuous culture) แบคทีเรียสามารถรีดิวส์โครเมตได้เท่ากับ 28%, 39% และ 57% โดยมีระยะเวลาที่อยู่ในถังหมักเท่ากับ 11.7, 20.8 และ 38.5 ชั่วโมง ตามลำดับ (De Leo and Ehrlich, 1994)

Enterobacter cloacae HO1 ซึ่งคัดแยกได้จากแอกติเวตเต็ดสลัดจ์ (activated sludge) สามารถเจริญในอาหารเลี้ยงเชื้อที่มีโครเมตในสถานะที่มีออกซิเจนและไร้ออกซิเจน แต่การรีดิวส์โครเมตจะเกิดขึ้นในสถานะไร้ออกซิเจนเท่านั้นและใช้โครเมตเป็นตัวให้อิเล็กตรอน การรีดิวส์โครเมตโดย *E. cloacae* HO1 เกิดขึ้นที่ pH 6.0-8.5 โดยมี pH ที่เหมาะสมเท่ากับ 7.0 ช่วงอุณหภูมิที่เกิดการรีดิวส์โครเมต คือ $20-40^{\circ}\text{C}$ โดยมีอุณหภูมิที่เหมาะสมคือ 30°C (Wang, et al., 1989)

ในทางตรงกันข้าม *Escherichia coli* ATCC 33456 ซึ่งสามารถเจริญและรีดิวส์โครเมตได้ทั้งสองสภาวะ แต่อัตราการรีดิวส์โครเมตในสภาวะไร้ออกซิเจนจะสูงกว่าในสภาวะที่มีออกซิเจน การรีดิวส์โครเมตโดย *E. coli* พบอยู่ในช่วง pH 3.0-8.0 และอุณหภูมิในช่วง 10-45 °C โดยมีอัตราการรีดิวส์สูงสุดที่ pH 7.0 และ 36 °C นอกจากนี้ยังพบว่าอัตราการรีดิวส์โครเมตของเชื้อนี้เกิดขึ้นในบริเวณผิวเซลล์และมีไครวาเลนซ์โครเมียมสะสมอยู่ภายนอกเซลล์ (Shen and Wang, 1993)

Wang and Xiao (1995) รายงานว่าการรีดิวส์โครเมตโดยเชื้อ *Bacillus* sp. และ *P. fluorescens* LB300 เกิดขึ้นในสภาวะที่มีออกซิเจน ไข่กลูโคสเป็นตัวให้อิเล็กตรอนและออกซิเจนเป็นตัวรับอิเล็กตรอน *Bacillus* sp. สามารถรีดิวส์โครเมตที่ความเข้มข้นในช่วง 0.1-0.5 mM แต่การรีดิวส์ที่สมบูรณ์จะเกิดขึ้นที่ความเข้มข้นไม่เกิน 0.1 mM ภายใน 96 ชั่วโมง สำหรับเชื้อ *P. fluorescens* LB300 ไม่สามารถรีดิวส์โครเมตที่ความเข้มข้นต่ำสุดได้ในระยะเวลาเท่ากัน

Microbacterium sp. MP30 ที่แยกจากเขตอุตสาหกรรมที่มีการปนเปื้อนของโครเมตในประเทศปากีสถาน สามารถรีดิวส์โครเมตที่ความเข้มข้น 0.1 mM ได้ภายใน 30 ชั่วโมง ภายใต้สภาวะไร้ออกซิเจน โดยใช้อะซิเตรทเป็นตัวให้อิเล็กตรอน เมื่อนำแบคทีเรียชนิดนี้ตรึงด้วย polyvinyl alcohol ในลักษณะของลูกปัดตรึงเซลล์ (immobilised cell beads) แล้วบรรจุลงในคอลัมน์ที่มีการไหลผ่านของสารละลายบัฟเฟอร์ผสมโครเมต พบว่าสามารถกำจัดโครเมตออกจากสารละลายบัฟเฟอร์ได้ถึง 95 % ในช่วงเวลา 20 วันทำการทดลอง (Pattanapitpaisal et al., 2001a; Pattanapitpaisal et al., 2001b)

จะเห็นได้ว่าจุลินทรีย์รีดิวส์โครเมตส่วนใหญ่เจริญและรีดิวส์โครเมตได้ดีในช่วงอุณหภูมิปานกลาง คือ ประมาณ 30 °C สำหรับประเทศไทยเป็นประเทศในแถบร้อน อุณหภูมิโดยทั่วไปค่อนข้างสูง ซึ่งมีผลกระทบต่อกิจกรรมของจุลินทรีย์ ดังนั้นการคัดเลือกแบคทีเรียที่ทนต่ออุณหภูมิสูงและรีดิวส์โครเมตได้ดี จึงเป็นแนวทางนำไปสู่การบำบัดน้ำเสียให้มีประสิทธิภาพและบรรลุเป้าหมายได้ดียิ่งขึ้นต่อไป

วัตถุประสงค์

1. เพื่อคัดเลือกแบคทีเรียเจริญที่อุณหภูมิสูงที่มีประสิทธิภาพในการรีดิวส์โครเมต
2. เพื่อศึกษาการรีดิวส์โครเมตของแบคทีเรียภายใต้สภาวะมีออกซิเจนและไร้ออกซิเจน
3. ศึกษาสภาวะที่เหมาะสมต่อการรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรียทนอุณหภูมิสูง
4. จัดจำแนกแบคทีเรียรีดิวส์โครเมตโดยวิธี 16S rRNA sequence analysis

วิธีการทดลอง

1. การเก็บตัวอย่าง

ทำการเก็บตัวอย่างน้ำและดินจากโรงงานทอผ้าไหมคำปูนจังหวัดอุบลราชธานี และตัวอย่างดินพรุจากเขตป่าพรุจังหวัดพัทลุง ใส่ในขวดเก็บตัวอย่างที่ผ่านการฆ่าเชื้อแล้ว บรรจุในถังน้ำแข็งและขนส่งสู่ห้องปฏิบัติการวิจัย

2. การแยกเชื้อและการทำให้เชื้อบริสุทธิ์

นำตัวอย่างดินและน้ำ มาบ่มเพาะในอาหารเลี้ยงเชื้อ Acetate Minimal Medium (AMM) (Pattanapipitpaisal *et al.*, 2001a) ที่มีความเข้มข้นของโครเมตเท่ากับ $100\ \mu\text{M}$ ที่อุณหภูมิ $40\ ^\circ\text{C}$ เป็นเวลา 3-5 วัน ตรวจวิเคราะห์ปริมาณโครเมต และทำการแยกเชื้อจากตัวอย่างที่มีปริมาณโครเมตลดลงมากที่สุดโดยวิธี spread plate technique บนอาหาร AMM agar คัดเลือกโคโลนีเดียวที่มีลักษณะฐานวิทยาศาสตร์แตกต่างกันและนำมาทำให้เป็นเชื้อบริสุทธิ์โดยวิธี cross streak technique ตรวจลักษณะและสีของโคโลนี ตรวจสอบรูปร่าง และการจัดเรียงตัวของเซลล์ และการติดสีย้อมแกรม ทำการเก็บ stock culture เพื่อการศึกษาต่อไป

3. การคัดเลือกแบคทีเรียรีดิวส์โครเมตภายใต้สภาวะมีออกซิเจน

เตรียมหัวเชื้อแบคทีเรียรีดิวส์โครเมตที่แยกได้จากข้อ 2 โดยเฉพาะเชื้อในอาหารเลี้ยงเชื้อ 50% nutrient broth บ่มด้วยเครื่องเขย่าด้วยความเร็วรอบ 200 rpm ที่อุณหภูมิ $40\ ^\circ\text{C}$ เป็นเวลา 16-18 ชั่วโมง จากนั้นถ่ายหัวเชื้อลงในฟลาสก์ที่มีอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโครเมตเท่ากับ $100\ \mu\text{M}$ (โดยให้มี OD_{600} ของเชื้อเริ่มต้นเท่ากับ 0.05) บ่มที่อุณหภูมิ $40\ ^\circ\text{C}$ ภายใต้สภาวะที่มีออกซิเจน โดยนำไปบ่มด้วยเครื่องเขย่าที่ความเร็วรอบ 200 rpm เป็นเวลา 72 ชั่วโมง เปิดสารละลายตัวอย่างตามช่วงเวลาต่างๆ นำไปวัดความหนาแน่นของเซลล์ด้วยเครื่องสเปกโตรโฟโตมิเตอร์ที่ OD_{600} จากนั้นนำไปปั่นเหวี่ยงแยกตะกอนเซลล์ และนำส่วนใสมาวิเคราะห์หาปริมาณโครเมตที่เหลือ

4. การคัดเลือกแบคทีเรียรีดิวส์โครเมตภายใต้สภาวะไร้ออกซิเจน

เตรียมหัวเชื้อแบคทีเรียรีดิวส์โครเมตที่แยกได้จากข้อ 2 โดยเฉพาะเชื้อในอาหารเลี้ยงเชื้อ 50% nutrient broth บ่มด้วยเครื่องเขย่าด้วยความเร็วรอบ 200 rpm ที่อุณหภูมิ $40\ ^\circ\text{C}$ เป็นเวลา 16-18 ชั่วโมง จากนั้นถ่ายหัวเชื้อลงในขวดที่มีอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโครเมตเท่ากับ $100\ \mu\text{M}$

(โดยให้มี OD_{600} ของเชื้อเริ่มต้นเท่ากับ 0.05) บ่มที่อุณหภูมิ 40 °C เป็นเวลา 72 ชั่วโมง ปิเปตสารละลายตัวอย่างตามช่วงเวลาต่างๆ นำไปวัดความหนาแน่นของเซลล์ด้วยเครื่องสเปกโตรโฟโตมิเตอร์ที่ OD_{600} จากนั้นนำไปปั่นเหวี่ยงแยกตะกอนเซลล์ และนำส่วนใสมาวิเคราะห์หาปริมาณโครเมตที่เหลือ

5. สภาพที่เหมาะสมต่อการรีดิวส์โครเมต

5.1 ความเป็นกรด-ด่าง

เตรียมหัวเชื้อแบคทีเรียรีดิวส์โครเมต โดยเฉพาะเชื้อในอาหารเลี้ยงเชื้อ 50% nutrient broth บ่มด้วยเครื่องเขย่าด้วยความเร็วรอบ 200 rpm ที่อุณหภูมิ 40 °C เป็นเวลา 16-18 ชั่วโมง จากนั้นถ่ายหัวเชื้อลงในขวดที่มีอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ซึ่งปรับความเป็นกรด-ด่างที่ระดับต่าง ๆ (pH 4, pH 5, pH6, pH7, pH8 และ pH9) และมีความเข้มข้นของโครเมตเท่ากับ 100 μ M (โดยให้มี OD_{600} ของเชื้อเริ่มต้นเท่ากับ 0.05) บ่มที่อุณหภูมิ 40 °C เป็นเวลา 72 ชั่วโมง โดยใช้แบคทีเรียที่ผ่านการนิ่งฆ่าเชื้อ (autoclaving) ในอาหารเลี้ยงเชื้อที่ค่า pH 7 เป็นหลอดควบคุม ปิเปตสารละลายตัวอย่างตามช่วงเวลาต่าง ๆ วัดความหนาแน่นของเซลล์ด้วยเครื่องสเปกโตรโฟโตมิเตอร์ที่ OD_{600} จากนั้นนำไปปั่นเหวี่ยงแยก ตะกอนเซลล์ และนำส่วนใสมาวิเคราะห์หาปริมาณโครเมตที่เหลือ

5.2 อุณหภูมิ

เตรียมหัวเชื้อแบคทีเรียรีดิวส์โครเมต โดยเฉพาะเชื้อในอาหารเลี้ยงเชื้อ 50% nutrient broth บ่มด้วยเครื่องเขย่าด้วยความเร็วรอบ 200 rpm ที่อุณหภูมิ 40 °C เป็นเวลา 16-18 ชั่วโมง จากนั้นถ่ายหัวเชื้อลงในขวดที่มีอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ซึ่งปรับความเป็นกรด-ด่างที่เหมาะสมจากข้อ 5.1 และมีความเข้มข้นของโซเดียมโครเมตเท่ากับ 100 μ M นำไปบ่มที่อุณหภูมิ 30 40 45 50 55 และ 60 °C เป็นเวลา 72 ชั่วโมง ทำการทดลองหลอดควบคุมโดยใช้แบคทีเรียที่ผ่านการนิ่งฆ่าเชื้อ ปิเปตสารละลายตัวอย่างตามช่วงเวลาต่างๆ วัดความหนาแน่นของเซลล์ด้วยเครื่องสเปกโตรโฟโตมิเตอร์ที่ OD_{600} จากนั้นนำไปปั่นเหวี่ยงแยก ตะกอนเซลล์และนำส่วนใสมาวิเคราะห์หาปริมาณโครเมตที่เหลือ

5.3 ความหนาแน่นของเซลล์

เตรียมหัวเชื้อแบคทีเรียรีดิวส์โครเมต โดยเฉพาะเชื้อในอาหารเลี้ยงเชื้อ 50% nutrient broth บ่มด้วยเครื่องเขย่าด้วยความเร็วรอบ 200 rpm ที่อุณหภูมิ 40 °C เป็นเวลา 16-18 ชั่วโมง จากนั้นถ่ายหัวเชื้อลงในขวดที่มีอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM โดยให้มีความหนาแน่นของเซลล์เริ่มต้นระดับต่าง ๆ ปรับความเป็นกรด-ด่างที่เหมาะสมจาก ข้อ 5.1 และมีความเข้มข้นของโซเดียมโครเมตเท่ากับ 100 μ M บ่มที่อุณหภูมิที่เหมาะสมจากข้อ 5.2 เป็นเวลา 72 ชั่วโมง ทำการทดลองหลอดควบคุม A (control A) ที่ไม่มีการถ่ายหัวเชื้อ และหลอดควบคุม B (control B) เป็นแบคทีเรียที่ผ่านการนิ่งฆ่าเชื้อ ปิเปตสารละลายตัวอย่างตามช่วงเวลาต่างๆ วัดความหนาแน่นของเซลล์ด้วยเครื่องสเปกโตรโฟโตมิเตอร์ที่ OD_{600} จากนั้นนำไปปั่นเหวี่ยงแยก ตะกอนเซลล์ และนำส่วนใสมาวิเคราะห์หาปริมาณโครเมตที่เหลือ

6. การจำแนกแบคทีเรียทนอุณหภูมิสูงที่รีดิวส์โครเมตโดยวิธี 16S rRNA sequence analysis

การเพิ่มจำนวน rDNA gene โดยเทคนิค PCR กระทำได้โดยใช้ชีวมวล (biomass) ของแบคทีเรียทนอุณหภูมิสูงที่รีดิวส์โครเมตที่คัดเลือกได้ โดยเตรียมสารละลายผสมซึ่งประกอบด้วย crude cell lysate, primer pairs pA/pH', deoxynucleoside triphosphate, Tag DNA polymerase และ PCR buffer อุณหภูมิที่ใช้สำหรับปฏิกิริยาคือ 94°C เป็นเวลา 40 วินาที, 55 °C เป็นเวลา 1 นาที และ 72°C เป็นเวลา 2 นาที จำนวนปฏิกิริยาเท่ากับ 35 cycles นำสารละลาย PCR product มาทำให้บริสุทธิ์ จากนั้นวิเคราะห์ความแตกต่างของ rDNA ด้วยเทคนิค restriction fragment length polymorphism analysis คัดแยกโคลนที่ได้มาวิเคราะห์หา ลำดับเบส (sequencing) แล้วนำมาเปรียบเทียบกับ 16S rRNA gene sequence ในฐานข้อมูลของ EMBL database โดยใช้ BLAST search

ผลการทดลอง

1. การคัดแยกเชื้อและการทำให้เชื้อบริสุทธิ์

จากการนำตัวอย่างน้ำและดินจากโรงงานทอผ้าไหมคำปุ่น จังหวัดอุบลราชธานีและตัวอย่างดินพรุจากเขตป่าพรุ จังหวัดพัทลุง จำนวนทั้งสิ้น 6 ตัวอย่าง มาทำการบ่มในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ที่มีความเข้มข้นของโครเมตเท่ากับ $100\ \mu\text{M}$ ที่อุณหภูมิ $40\ ^\circ\text{C}$ เป็นเวลา 72 ชั่วโมง พบว่าตัวอย่างดินพรุ มีปริมาณโครเมตเหลืออยู่น้อยที่สุดคือ $0.59\ \mu\text{M}$ ดังแสดงในตารางที่ 1 จากการนั้นนำตัวอย่างที่มีปริมาณโครเมตเหลือน้อยกว่า $20\ \mu\text{M}$ ไปทำการแยกเชื้อให้บริสุทธิ์ ได้เชื้อบริสุทธิ์ทั้งสิ้น 17 isolates ดังแสดงในตารางที่ 2

2. การศึกษาประสิทธิภาพการรีดิวส์โครเมตของแบคทีเรียที่คัดแยกได้ภายใต้สภาวะมีออกซิเจน

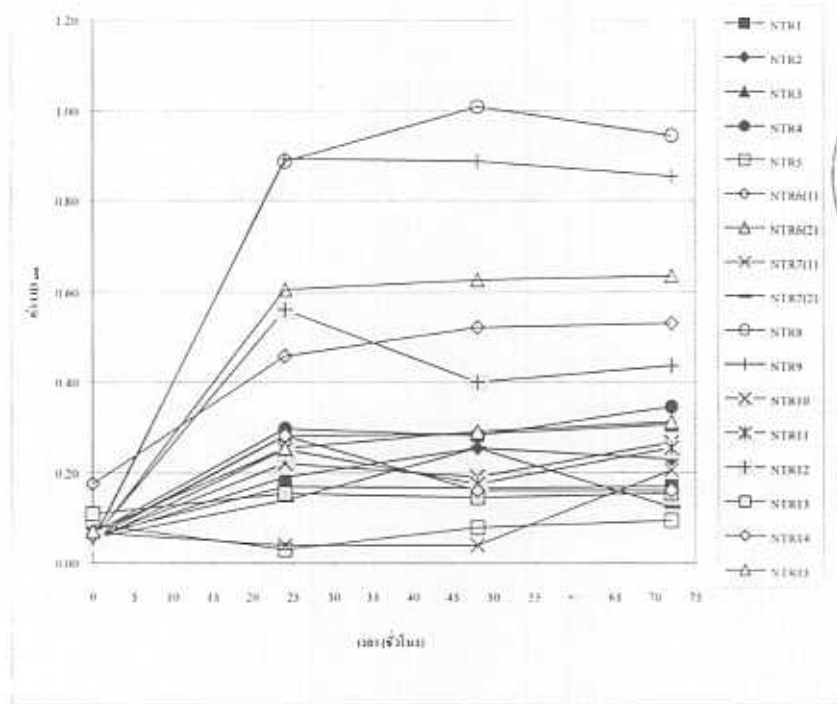
นำแบคทีเรียที่คัดแยกได้ทั้ง 17 isolates มาศึกษาประสิทธิภาพการรีดิวส์โครเมตภายใต้สภาวะอุณหภูมิสูงและมีออกซิเจน โดยวัดความหนาแน่นของเซลล์และวิเคราะห์ปริมาณโครเมตที่เหลือ แล้วนำไปคำนวณหาเปอร์เซ็นต์การรีดิวส์ (percentage of reduction) พบว่าแบคทีเรียที่คัดแยกได้ทั้ง 17 isolates สามารถเจริญได้ดี ดังแสดงในภาพที่ 1 สำหรับการรีดิวส์โครเมตพบว่า isolate ที่มีเปอร์เซ็นต์การรีดิวส์สูงที่สุด เมื่อบ่มเชื้อที่อุณหภูมิ $40\ ^\circ\text{C}$ เป็นเวลา 72 ชั่วโมง ภายใต้สภาวะมีออกซิเจน คือ NTR12 มีค่าเท่ากับ 66.85 % และ isolate ที่มีเปอร์เซ็นต์การรีดิวส์ต่ำสุดที่สภาวะเดียวกันคือ NTR5 และ NTR3 เท่ากับ 8.28 และ 9.79 % ตามลำดับ ดังแสดงในภาพที่ 3 นอกจากนี้ในชุดควบคุม (control) ซึ่งไม่มีการเพาะเลี้ยงเชื้อแบคทีเรีย พบว่าไม่มีการลดปริมาณของโครเมต จึงสรุปได้ว่าปฏิกิริยาที่เกิดขึ้นไม่เกี่ยวข้องกับปฏิกิริยาเคมีภายนอกเซลล์

ตารางที่ 1 ชนิดของตัวอย่างและปริมาณโครเมตที่เหลือ

ชนิดของตัวอย่าง	แหล่งตัวอย่าง	ปริมาณโครเมต (μM)
ตัวอย่างน้ำ 1	บ่อน้ำบาดาลที่ 1 โรงงานทอผ้าไหมคำปุ่น จ. อุบลราชธานี	42.20
ตัวอย่างน้ำ 2	บ่อน้ำบาดาลที่ 2 โรงงานทอผ้าไหมคำปุ่น จ. อุบลราชธานี	16.10
ตัวอย่างน้ำ 3	บ่อน้ำบาดาลที่ 3 โรงงานทอผ้าไหมคำปุ่น จ. อุบลราชธานี	2.86
ตัวอย่างน้ำ 4	บ่อน้ำบาดาลที่ 4 โรงงานทอผ้าไหมคำปุ่น จ. อุบลราชธานี	15.26
ตัวอย่างดิน	บริเวณย้อมผ้า โรงงานทอผ้าไหมคำปุ่น จ.อุบลราชธานี	0.85
ตัวอย่างดินพรุ	เขตป่าพรุ จ. พัทลุง	0.59

ตารางที่ 2 ชนิดของตัวอย่างและลักษณะของแบคทีเรียที่แยกได้

ชนิดของตัวอย่าง	รหัสเชื้อ	ลักษณะโคโลนี	รูปร่างเซลล์	การติดสีย้อมแกรม
ตัวอย่างน้ำ 2	NTR1	Irregular, undulate, raised, opaque, สีขาวขุ่น	rod	Gram positive
	NTR2	irregular, undulate, raised, opaque, สีขาวขุ่น	rod	Gram positive
	NTR3	irregular, undulate, raised, opaque, สีขาวขุ่น	rod	Gram negative
	NTR4	irregular, undulate, raised, opaque, สีขาวขุ่น	rod	Gram negative
	NTR5	irregular, undulate, raise, opaque, สีขาวขุ่น	rod	Gram positive
ตัวอย่างน้ำ 3	NTR6(1)	circular, entire, convex, opaque, สีขาวขุ่น	rod	Gram positive
	NTR6(2)	circular, entire, convex, opaque, สีขาว	rod	Gram positive
	NTR7(1)	circular, entire, raised, opaque, สีขาวอมเหลือง	rod	Gram negative
	NTR7(2)	circular, entire, raised, opaque, สีขาวขุ่น	rod	Gram positive
ตัวอย่างน้ำ 4	NTR8	circular, entire, raised, opaque, สีขาว	rod	Gram positive
	NTR9	circular, entire, raised, opaque, สีขาวขุ่น	rod	Gram positive
	NTR10	irregular, undulate, raised, transparent, สีเหลือง	short rod	Gram positive
ตัวอย่างดิน	NTR11	circular, entire, convex, opaque, สีขาวขุ่น	rod	Gram positive
	NTR12	circular, entire, convex, opaque, สีขาวอมชมพู	short rod	Gram positive
ตัวอย่างดินพรุ	NTR13	irregular, undulate, raised, opaque, สีขาว	rod	Gram positive
	NTR14	circular, entire, convex, opaque, สีเหลืองอมชมพู	rod	Gram positive
	NTR15	irregular, undulate, convex, opaque, สีขาวขุ่น	short rod	Gram positive



ภาพที่ 1 การเจริญของแบคทีเรียที่คัดแยกได้ เมื่อเพาะเลี้ยงในอาหาร AMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโครเมียมเท่ากับ $100 \mu\text{M}$ ที่อุณหภูมิ 40°C ระยะเวลา 72 ชั่วโมง ภายใต้สภาวะมือออกซิเจน

จบ 1627

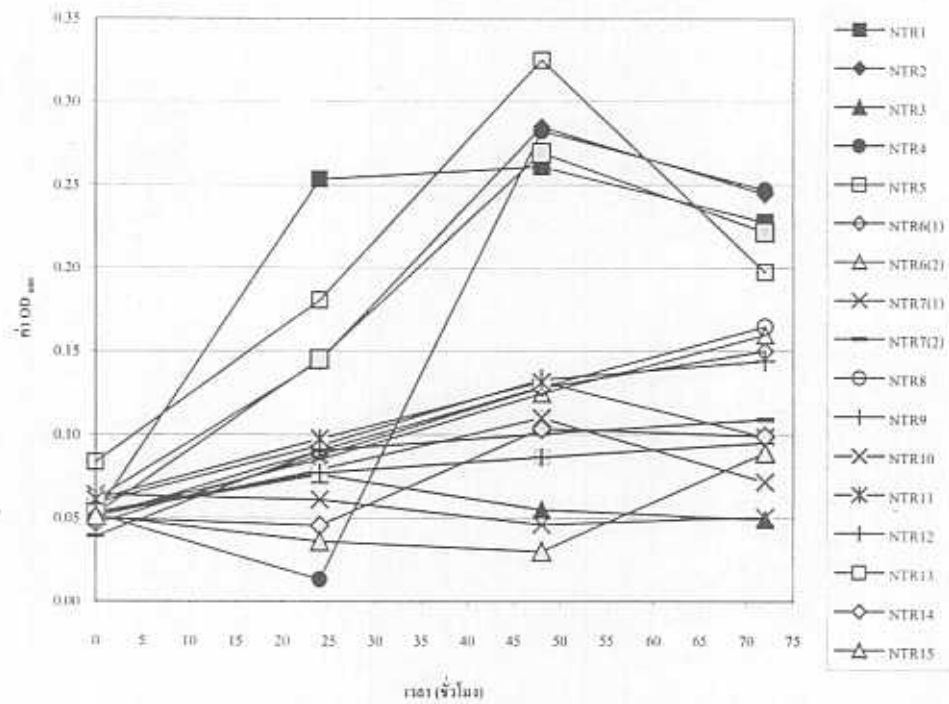
ข้อมูลท้องถิ่น

ให้เฉพาะใน

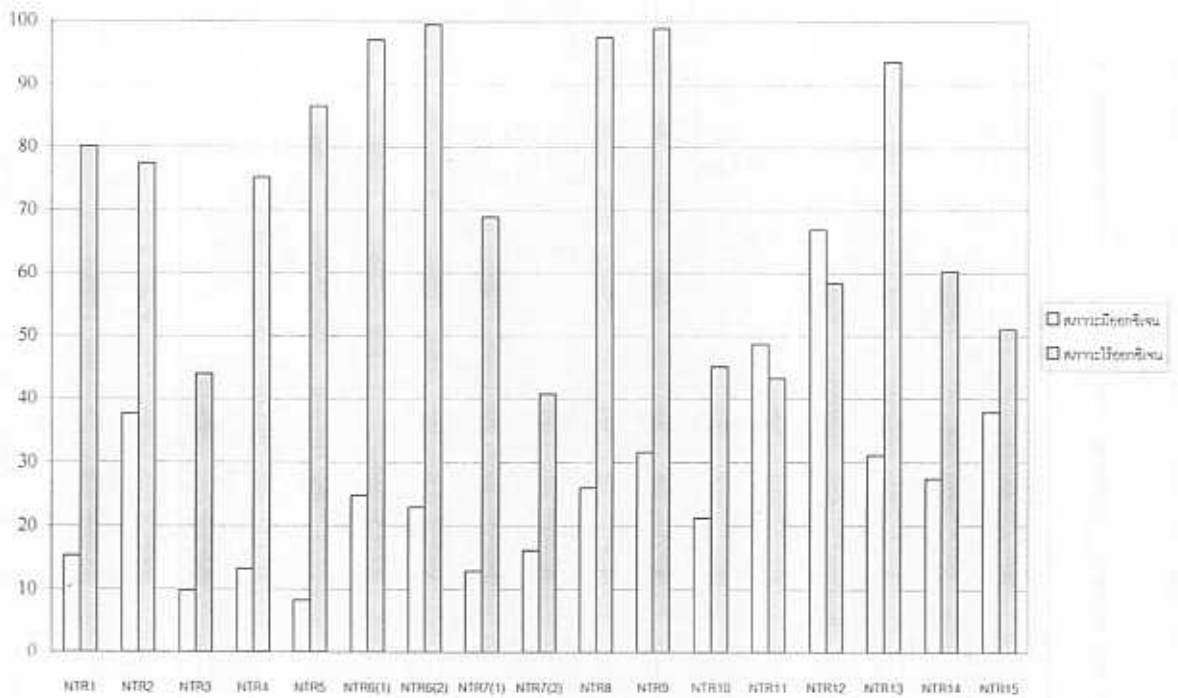
ศูนย์ข้อมูลท้องถิ่นเท่านั้น

3. การศึกษาประสิทธิภาพการรื้อฟื้นโครเมตของแบคทีเรียที่คัดแยกได้ภายใต้สภาวะไร้ออกซิเจน นำแบคทีเรีย 17 isolates ที่คัดแยกได้ มาศึกษาประสิทธิภาพการรื้อฟื้นโครเมตภายใต้สภาวะ อุณหภูมิสูงและไร้ออกซิเจน โดยวัดความหนาแน่นของเซลล์และวิเคราะห์ปริมาณโครเมตที่เหลือ แล้วนำไป คำนวณหาเปอร์เซ็นต์การรื้อฟื้น (percentage of reduction) พบว่า isolate NTR6(2), NTR9, NTR8, NTR6(1) มีเปอร์เซ็นต์การรื้อฟื้นเท่ากับ 99.52, 98.93, 97.56 และ 97.10% ตามลำดับ สำหรับ isolate ที่มี เปอร์เซ็นต์การรื้อฟื้นต่ำสุดในสภาวะเดียวกันคือ NTR7(2) มีค่าเท่ากับ 40.77% ดังแสดงในภาพที่ 3 สำหรับ ขวดควบคุม (control) ไม่พบการลดลงของโครเมต

จากภาพที่ 3 จะเห็นได้ว่าแบคทีเรียทั้ง 17 isolates ที่คัดแยกได้สามารถรื้อฟื้นโครเมตได้ทั้งสอง สภาวะ แบคทีเรียส่วนใหญ่มีประสิทธิภาพในการรื้อฟื้นโครเมตในสภาวะไร้ออกซิเจนสูงกว่าภายใต้สภาวะมี ออกซิเจน ยกเว้น isolate NTR 11 และ NTR 12 ซึ่งเปอร์เซ็นต์การรื้อฟื้นโครเมตภายใต้สภาวะมีออกซิเจน (48.68 % และ 66.85 % ตามลำดับ) สูงกว่าสภาวะไร้ออกซิเจนเล็กน้อย (43.29% และ 58.36% ตาม ลำดับ) อย่างไรก็ตามเปอร์เซ็นต์การรื้อฟื้นโครเมตในสภาวะไร้ออกซิเจนโดย isolate NTR6(2) และ NTR9 (99.52 และ 98.93 % ตามลำดับ) สูงกว่าการรื้อฟื้นโครเมตในสภาวะมีออกซิเจนโดย isolate NTR 11 และ NTR 12 ซึ่งเป็นข้อดีเหมาะต่อการนำไปประยุกต์ใช้ในการบำบัดน้ำทิ้งจากโรงงานอุตสาหกรรมต่อไป เนื่อง จากการใช้ระบบไร้ออกซิเจน จะช่วยลดการใช้พลังงานในการให้อากาศ การกวน การเกิดฟอง และช่วยลด ต้นทุนการผลิตอีกด้วย ดังนั้นจะเลือกเฉพาะการรื้อฟื้นโครเมตในสภาวะไร้ออกซิเจนในการทดลองขั้นต่อไป สำหรับแบคทีเรีย isolate NTR6(2) แม้ว่าจะมีเปอร์เซ็นต์การรื้อฟื้นสูงสุด แต่ต้องใช้เวลาในการเจริญในขั้น ตอนการเตรียมหัวเชื้อช้ากว่า isolate NTR9 ซึ่งอาจก่อให้เกิดปัญหาความล่าช้าในการเพิ่มขนาดหัวเชื้อ จึงเลือกใช้ isolate NTR9 ในการทดลองขั้นต่อไป



ภาพที่ 2 การเจริญของแบคทีเรียที่แยกได้ เมื่อเพาะเลี้ยงในอาหาร AMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโครเมตเท่ากับ 100 μM ที่อุณหภูมิ 40 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 72 ชั่วโมง ภายใต้สภาวะไร้ออกซิเจน



ภาพที่ 3 เปรียบเทียบเปอร์เซ็นต์การรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรียที่คัดแยกได้เมื่อเลี้ยงในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ที่อุณหภูมิ 40 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 72 ชั่วโมง ภายใต้สภาวะมีออกซิเจนและไร้ออกซิเจน

4. สภาพที่เหมาะสมต่อการรีดิวส์โครเมต

4.1 ความเป็นกรด-ด่าง

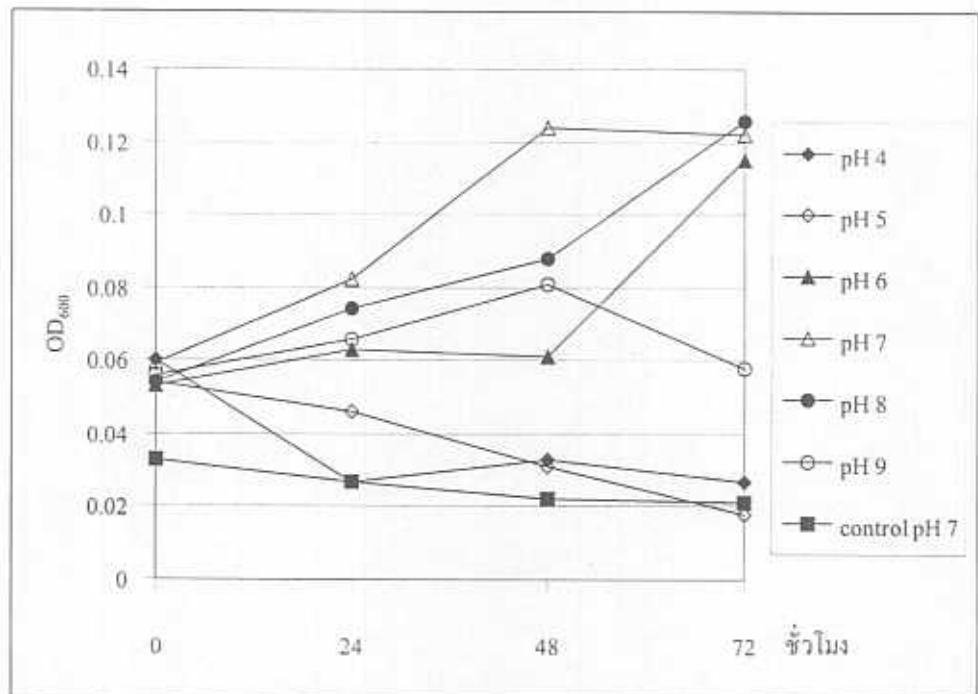
นำแบคทีเรีย isolate NTR9 มาศึกษาประสิทธิภาพการรีดิวส์โครเมต โดยเลี้ยงในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ที่ปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างที่ระดับต่าง ๆ บ่มที่อุณหภูมิ 40 °C ภายใต้สภาวะไร้ออกซิเจน ตรวจสอบการเจริญเซลล์และวิเคราะห์ปริมาณโครเมตที่เหลือ จากการทดลองพบว่าในสภาวะที่เป็นกรด (pH 4-5) แบคทีเรียสามารถเจริญและรีดิวส์โครเมตได้เล็กน้อยในช่วง 24 ชั่วโมงแรก หลังจากนั้นไม่พบการเจริญ และปริมาณโครเมตจะคงที่ เนื่องจากสภาพความเป็นกรด อาจมีผลต่อการเจริญของเซลล์ ส่วนที่ pH 9 เชื้อสามารถเจริญและรีดิวส์โครเมตได้ประมาณ 40% ที่ระดับ pH 6-8 เชื้อสามารถเจริญและรีดิวส์โครเมตได้ดี โดยที่ pH 7 เชื้อสามารถเจริญและรีดิวส์โครเมตได้ดีที่สุด โดยโครเมตลดลงเหลือ 3.18 μM หรือประมาณ 97% ในเวลา 72 ชั่วโมง ดังแสดงในตารางที่ 3-4 ภาพที่ 4-5

ตารางที่ 3 การเจริญของแบคทีเรีย isolate NTR9 ในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโครเมตเท่ากับ 100 μM และปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างระดับต่าง ๆ ที่อุณหภูมิ 40 °C เป็นเวลา 72 ชั่วโมง

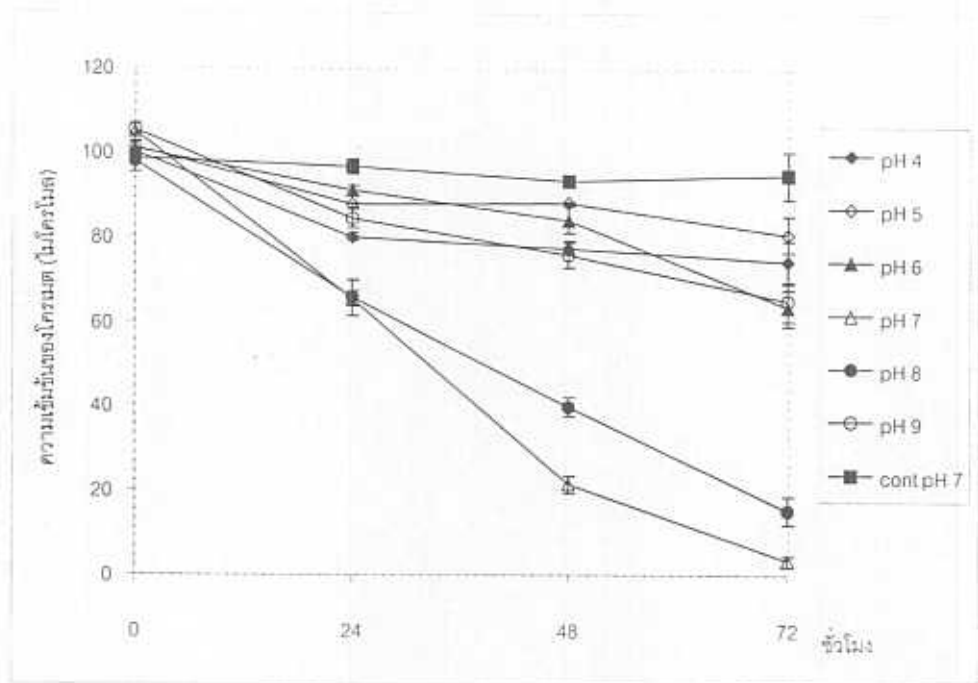
เวลา (ชั่วโมง)	ความหนาแน่นของเซลล์ (OD ₆₀₀)						
	pH 4	pH 5	pH 6	pH 7	pH 8	pH 9	control pH 7
0	0.060	0.054	0.053	0.059	0.054	0.056	0.033
24	0.027	0.046	0.063	0.082	0.074	0.066	0.027
48	0.033	0.031	0.061	0.124	0.088	0.081	0.022
72	0.027	0.018	0.115	0.122	0.126	0.058	0.021

ตารางที่ 4 การรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรีย isolate NTR9 เมื่อเลี้ยงในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโครเมตเท่ากับ 100 μM และปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างระดับต่าง ๆ ที่อุณหภูมิ 40 °C

เวลา (ชั่วโมง)	ความเข้มข้นของโครเมตที่ระดับ pH ต่าง ๆ						
	pH 4	pH 5	pH 6	pH 7	pH 8	pH 9	control pH 7
0	100.21	101.14	100.71	104.61	97.81	100.99	98.58
24	79.98	87.51	90.98	65.38	65.59	84.34	96.47
48	77.43	88.08	83.97	21.44	39.75	75.91	93.21
72	74.13	80.70	63.42	3.18	15.15	64.86	94.64



ภาพที่ 4 การเจริญของแบคทีเรีย isolate NTR9 ในอาหารเลี้ยงเชื้อAMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโครเมตเท่ากับ 100 μ M และปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างระดับต่าง ๆ ที่อุณหภูมิ 40 $^{\circ}$ C เป็นเวลา 72 ชั่วโมง



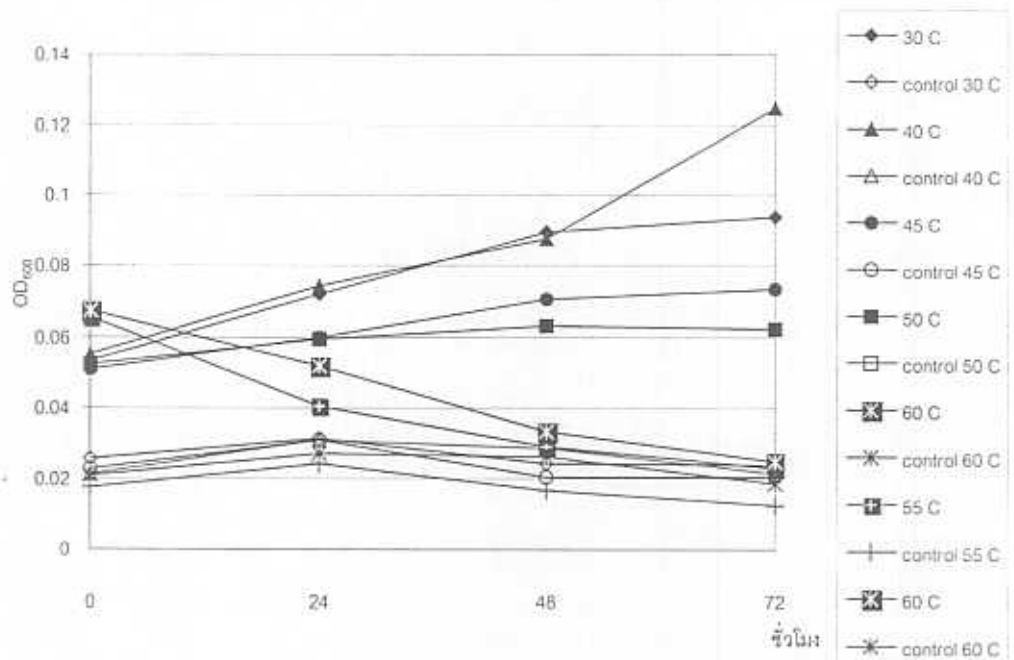
ภาพที่ 5 การรีดิวส์โคไรเมตโดยแบคทีเรีย isolate NTR9 เมื่อเลี้ยงในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโคไรเมตเท่ากับ 100 μM และปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างระดับต่าง ๆ ที่อุณหภูมิ 40 $^{\circ}\text{C}$ เป็นเวลา 72 ชั่วโมง

4.2 อุณหภูมิ

นำแบคทีเรีย isolate NTR9 มาศึกษาประสิทธิภาพการรีดิวส์โครเมต โดยเลี้ยงเชื้อในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ที่ปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างเท่ากับ 7 บ่มที่อุณหภูมิ 30 40 45 50 55 และ 60 °C ภายใต้สภาวะไร้ออกซิเจน ตรวจสอบการเจริญของเซลล์และวิเคราะห์ปริมาณโครเมตที่เหลือ จากการทดลองพบว่าแบคทีเรียสามารถเจริญและรีดิวส์โครเมตได้ในช่วงอุณหภูมิ 30-55 °C โดยที่อุณหภูมิ 55 °C เชื้อสามารถเจริญและรีดิวส์โครเมตได้ประมาณ 20% ในช่วง 48 ชั่วโมงแรก ส่วนที่อุณหภูมิ 60 °C เชื้อไม่สามารถเจริญหรือรีดิวส์โครเมตได้ อุณหภูมิที่เชื้อสามารถรีดิวส์โครเมตได้ดีที่สุดคือ อุณหภูมิ 40 °C ดังแสดงในตารางที่ 5-6 ภาพที่ 6-7

ตารางที่ 5 การเจริญของแบคทีเรีย isolate NTR9 ในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโครเมตเท่ากับ 100 μM และปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างเท่ากับ 7 บ่มที่อุณหภูมิต่าง ๆ เป็นเวลา 72 ชั่วโมง

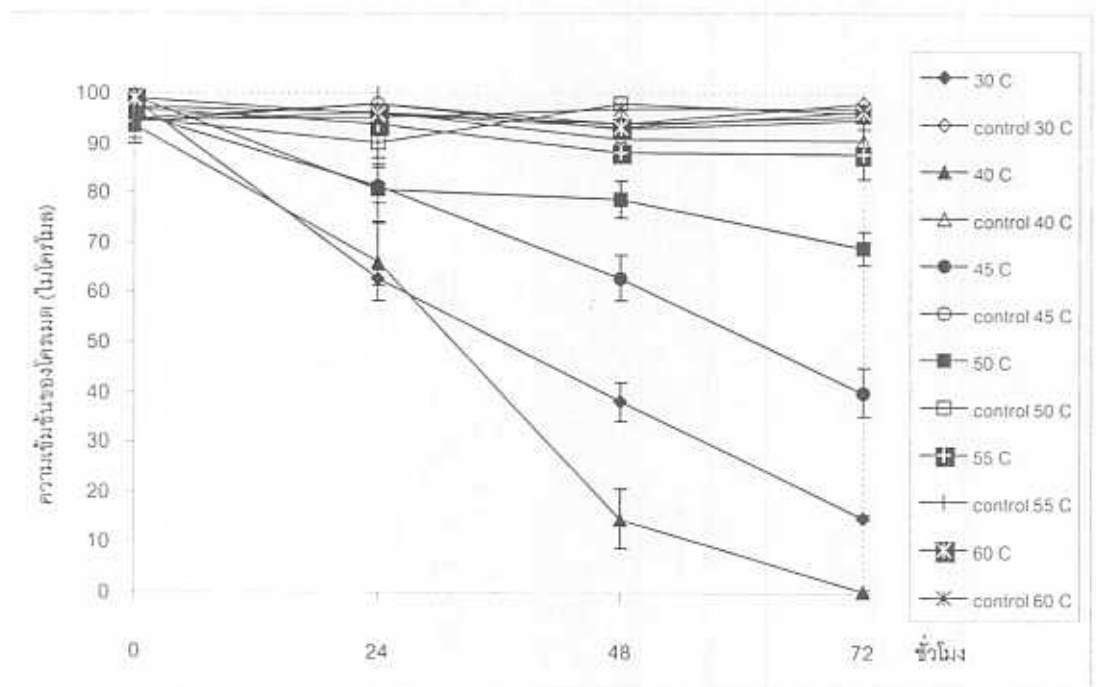
อุณหภูมิ	ความหนาแน่นของเซลล์ (OD_{600})			
	0 ชั่วโมง	24 ชั่วโมง	48 ชั่วโมง	72 ชั่วโมง
30 °C	0.053	0.072	0.090	0.094
control 30 °C	0.026	0.031	0.024	0.024
40 °C	0.055	0.075	0.088	0.125
control 40 °C	0.021	0.031	0.028	0.021
45 °C	0.051	0.060	0.071	0.073
control 45 °C	0.023	0.031	0.020	0.020
50 °C	0.052	0.060	0.063	0.062
control 50 °C	0.065	0.040	0.029	0.023
55 °C	0.025	0.040	0.029	0.023
control 55 °C	0.017	0.024	0.017	0.012
60 °C	0.067	0.0515	0.033	0.025
control 60 °C	0.021	0.027	0.026	0.019



ภาพที่ 6 การเจริญของแบคทีเรีย isolate NTR9 เมื่อเลี้ยงในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโครเมตเท่ากับ 100 μ M และปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างเท่ากับ 7 บ่มเชื้อที่อุณหภูมิต่าง ๆ เป็นเวลา 72 ชั่วโมง

ตารางที่ 6 การรื้อฟื้นโครเมตโดยแบคทีเรีย isolate NTR9 เมื่อเลี้ยงในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโครเมตเท่ากับ 100 μM และปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างเท่ากับ 7 ปมที่อุณหภูมิต่าง ๆ เป็นเวลา 72 ชั่วโมง

เวลา (ชั่วโมง)	ความเข้มข้นของโครเมตที่ระดับอุณหภูมิต่าง ๆ											
	30 °C	Control 30 °C	40 °C	Control 40 °C	45 °C	Control 45 °C	50 °C	Control 50 °C	55 °C	Control 55 °C	60 °C	Control 60 °C
0	98.77	97.15	93.63	94.25	95.84	94.10	99.23	94.83	96.87	94.93	98.82	94.43
24	62.9	96.15	66.24	96.18	81.54	98.13	80.80	90.28	93.89	97.87	95.89	95.41
48	38.01	93.86	14.68	90.9	62.99	93.81	78.71	97.89	88.21	92.77	93.15	96.88
72	15.01	98.09	0.33	90.45	40.03	95.11	68.88	95.80	87.95	94.67	96.43	96.96



ภาพที่ 7 การรื้อฟื้นโครเมตโดยแบคทีเรีย isolate NTR9 เมื่อเลี้ยงในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโครเมตเท่ากับ 100 μM และปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างเท่ากับ 7 ปมเชื้อที่อุณหภูมิต่าง ๆ เป็นเวลา 72 ชั่วโมง

4.3 ความหนาแน่นของเซลล์เริ่มต้น

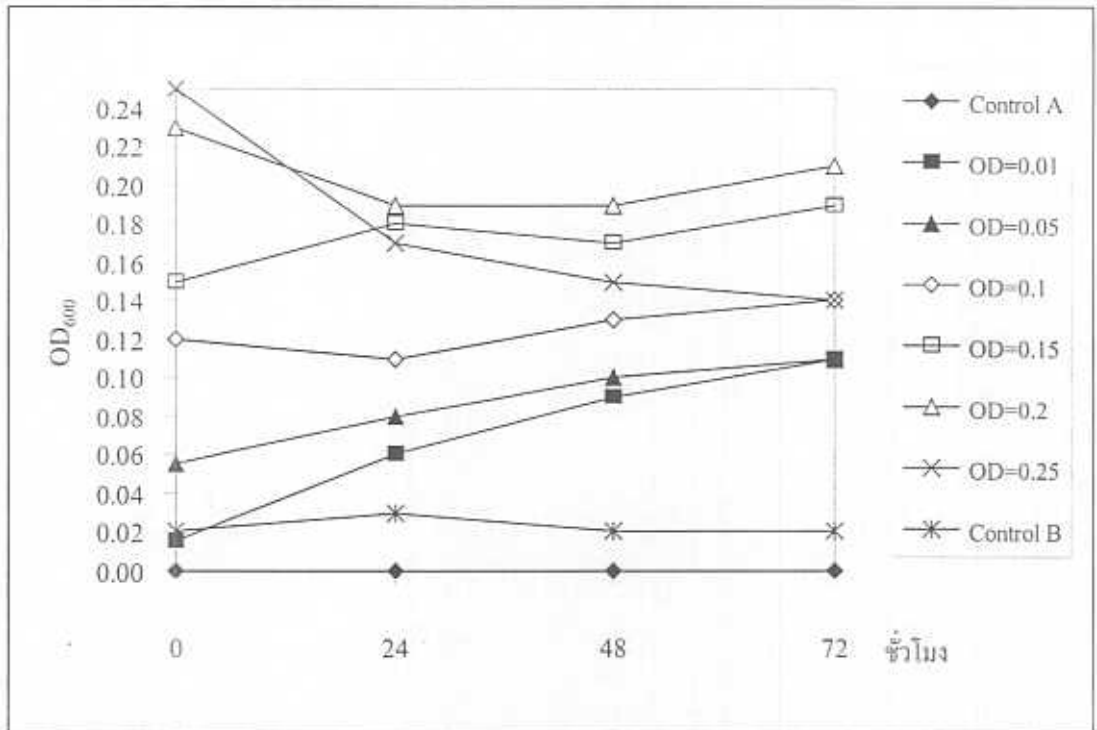
นำแบคทีเรีย isolate NTR9 มาศึกษาประสิทธิภาพการรีดิวส์โครเมต โดยเลี้ยงเชื้อให้มีความหนาแน่นของเซลล์เริ่มต้น (OD_{600}) เท่ากับ 0.01 0.05 0.1 0.15 0.2 และ 0.25 ในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ที่ปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างเท่ากับ 7 บ่มเชื้อที่อุณหภูมิ 40 °C ภายใต้สภาวะไร้ออกซิเจน ตรวจสอบการเจริญของเซลล์และวิเคราะห์ปริมาณโครเมตที่เหลือ จากการทดลองพบว่าที่ความหนาแน่นของเซลล์เริ่มต้นเท่ากับ 0.05 และ 0.1 แบคทีเรียให้เปอร์เซ็นต์การรีดิวส์โครเมตได้ 99% ภายใน 72 ชั่วโมง และที่ความหนาแน่นของเซลล์เริ่มต้นเท่ากับ 0.15 0.2 และ 0.25 แบคทีเรียมีเปอร์เซ็นต์การรีดิวส์โครเมตได้ประมาณ 93-95% ภายใน 48 ชั่วโมง ดังแสดงในตารางที่ 6-7 ภาพที่ 7-8

ตารางที่ 7 การเจริญของแบคทีเรีย isolate NTR9 ที่ความหนาแน่นเซลล์เริ่มต้นระดับต่าง ๆ ในอาหาร เลี้ยงเชื้อ AMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโครเมต เท่ากับ 100 μ M และปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างเท่ากับ 7 บ่มที่อุณหภูมิ 40 °C เป็นเวลา 72 ชั่วโมง

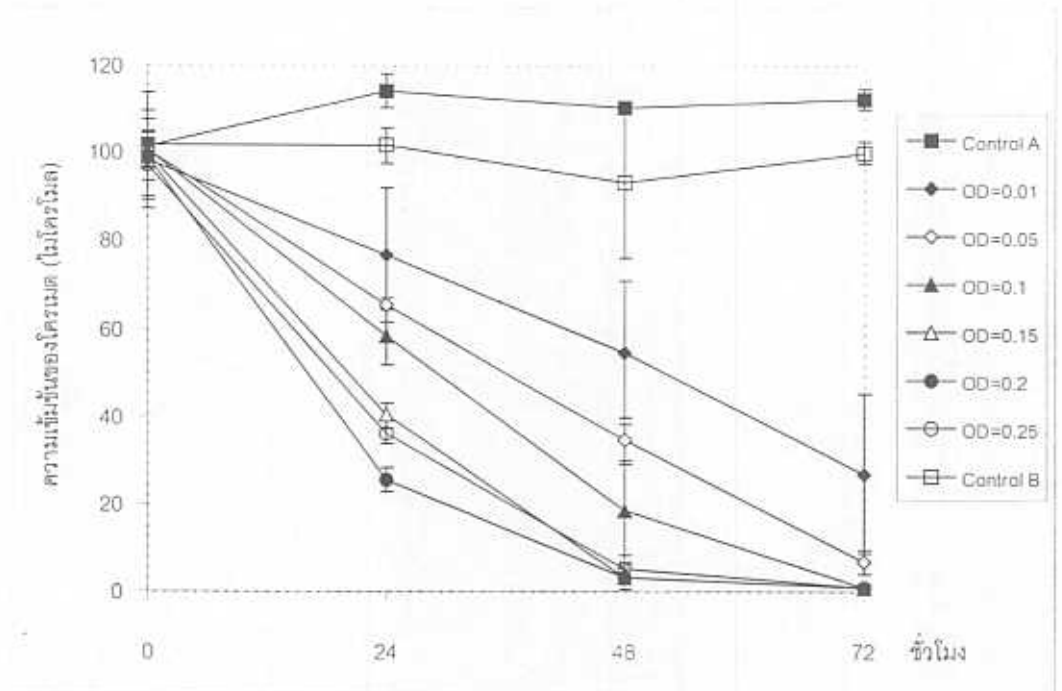
เวลา (ชั่วโมง)	ความหนาแน่นของเซลล์ (OD_{600})							Control B
	Control A	$OD_{600} = 0.01$	$OD_{600} = 0.05$	$OD_{600} = 0.1$	$OD_{600} = 0.15$	$OD_{600} = 0.2$	$OD_{600} = 0.25$	
0	0.00	0.015	0.055	0.12	0.15	0.23	0.25	0.02
24	0.00	0.06	0.08	0.11	0.18	0.19	0.17	0.03
48	0.00	0.09	0.1	0.13	0.17	0.19	0.15	0.02
72	0.00	0.11	0.11	0.14	0.19	0.21	0.14	0.02

ตารางที่ 8 การรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรีย isolate NTR9 ที่ความหนาแน่นเซลล์เริ่มต้นระดับต่าง ๆ ในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโครเมตเท่ากับ 100 μ M และปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างเท่ากับ 7 บ่มที่อุณหภูมิ 40 °C เป็นเวลา 72 ชั่วโมง

เวลา (ชั่วโมง)	ความเข้มข้นของโครเมตที่ความหนาแน่นของเซลล์เริ่มต้นระดับต่าง ๆ							Control B
	Control A	$OD_{600} = 0.01$	$OD_{600} = 0.05$	$OD_{600} = 0.1$	$OD_{600} = 0.15$	$OD_{600} = 0.2$	$OD_{600} = 0.25$	
0	101.16	98.16	100.37	100.32	99.51	98.96	96.91	101.76
24	114.21	76.54	65.41	58.12	40.12	25.48	36.05	101.51
48	110.36	54.36	34.26	18.3	3.16	3.04	5.24	93.06
72	112.09	26.74	6.58	0.85	0.76	0.84	0.75	99.85



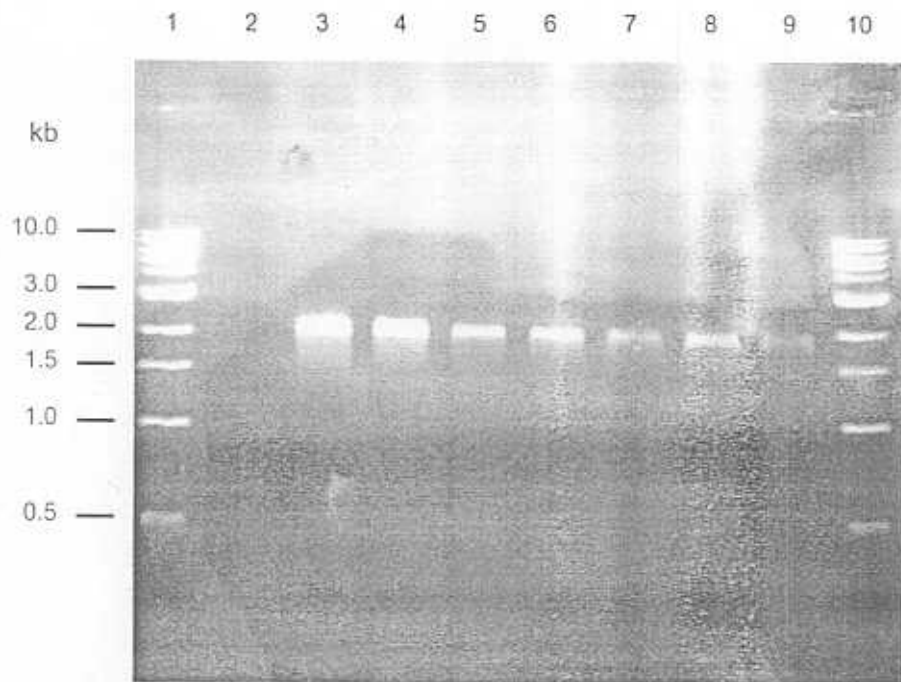
ภาพที่ 8 การเจริญของแบคทีเรีย isolate NTR9 ที่มีความหนาแน่นเซลล์เริ่มต้นระดับต่าง ๆ ในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโคโรเมตเท่ากับ 100 μM และปรับสภาพความเป็นกรดต่างเท่ากับ 7 บมเชื้อที่อุณหภูมิ 40 $^{\circ}\text{C}$ เป็นเวลา 72 ชั่วโมง



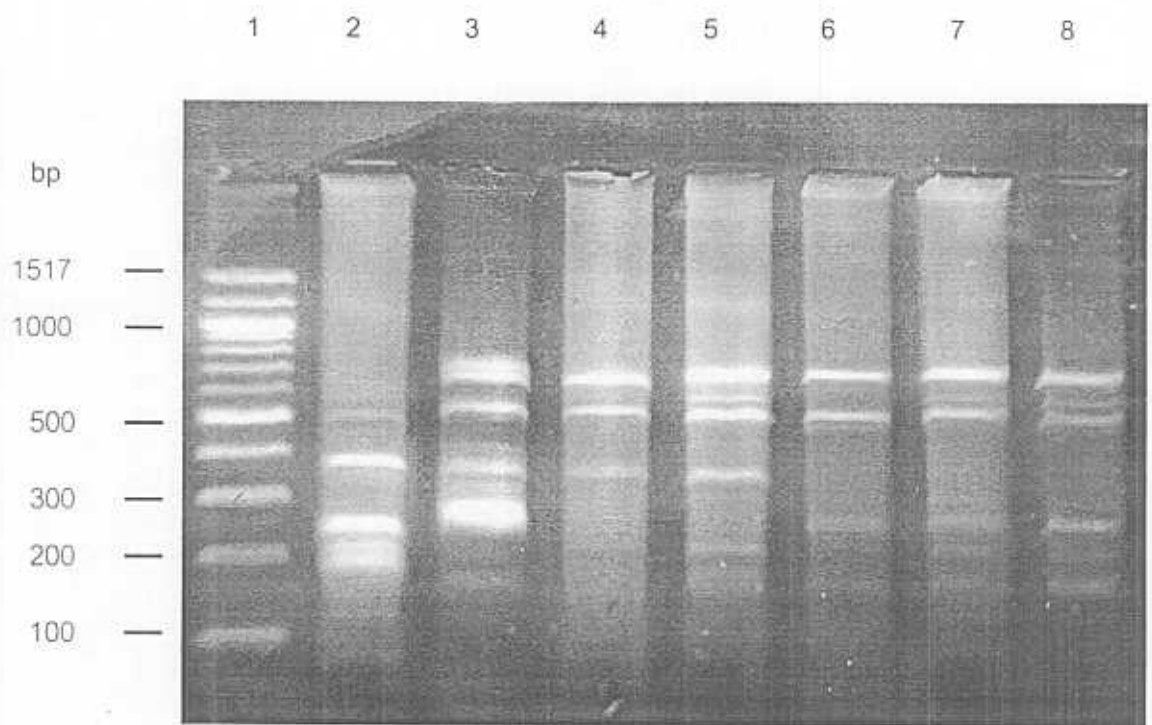
ภาพที่ 9 การรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรีย isolate NTR9 ที่ความหนาแน่นเซลล์เริ่มต้นระดับต่าง ๆ ในอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM ซึ่งมีความเข้มข้นของโครเมตเท่ากับ 100 μ M และปรับสภาพความเป็นกรด-ด่างเท่ากับ 7 บ่มเชื้อที่อุณหภูมิ 40 $^{\circ}$ C ในช่วงเวลาต่างๆ

5. การจำแนกแบคทีเรียชนิดสูงที่รีดิวส์โครเมตโดยวิธี 16S rRNA sequence analysis
 แบคทีเรีย NTR9 เป็นแบคทีเรียรูปท่อน แกรมบวก เมื่อเลี้ยงบนอาหารเลี้ยงเชื้อ AMM จะให้
 ลักษณะโคโลนีกลม ขอบเรียบ ตรงกลางนูนเล็กน้อย โคโลนีที่บดแสง สีขาวขุ่น เมื่อนำมาศึกษาชนิดของ
 แบคทีเรียด้วยเทคนิค PCR เพื่อเพิ่มจำนวน rDNA fragments โดยใช้ primer pairs pA/pH' ดังแสดงใน
 ภาพที่ 10 พบว่าได้ DNA fragment ขนาดเดียวกับ positive control (lane 3; *E. coli*, lane 9; NTR9) และ
 ไม่มี DNA fragment เกิดขึ้นใน negative control (lane 2) เมื่อนำ PCR product ที่ได้ไปย่อยด้วย
 restriction enzyme *Sau3AI* และ *HaeIII* และตรวจสอบด้วย 2% low melting point agarose พบว่าแบบ
 แผนการถูกย่อยด้วย restriction enzyme ของ NTR6 และ NTR9 มีลักษณะคล้ายคลึงกัน จึงเป็นไปได้ว่า
 แบคทีเรียทั้งสองน่าจะเป็นแบคทีเรียชนิดเดียวกัน

เมื่อนำ PCR product ที่ได้จากเซลล์ของ NTR9 มาวิเคราะห์หาลำดับเบส (direct sequencing)
 โดยใช้ primer 943 reverse แล้วนำลำดับเบสที่ได้มาเปรียบเทียบกับลำดับเบสที่เหมือนกันที่สุดในฐานข้อมูล
 ของ EMBL database โดยใช้ BLAST search ผลการสืบค้นข้อมูลพบว่าลำดับเบสของ NTR9 สอด
 คล้อง 98% กับลำดับเบสของ *Bacillus fusiformis* 16S rRNA gene ดังนั้นจึงสรุปว่า NTR9 เป็นแบคทีเรีย
 ในจีส *Bacillus* ซึ่งแบคทีเรียในจีสนี้เป็นแบคทีเรียรูปท่อน แกรมบวก สร้างสปอร์ ดำรงชีวิต ในสภาวะ
 aerobic และ facultative anaerobic เซลล์เคลื่อนที่ได้ มีขนาด 0.5-1.5x2-6 μm เรียงตัวแบบเดี่ยวๆ เป็นคู่
 หรือเป็นสายโซ่ กระบวนการเมตาบอลิซึมเป็นแบบ respiratory หรือ facultatively fermentative ทุกสปีชีส์
 เป็น chemoorganoheterotrophs มี G+C content เท่ากับ 30-70 mol% (Claus and Berkeley, 1986)
 Ash และคณะ (1991) ได้ศึกษา 16S rRNA sequence ของจีส *Bacillus* ทั้งหมด 51 สปีชีส์ สามารถ
 จำแนกความแตกต่างทางพันธุกรรมออกเป็น 5 กลุ่มคือ กลุ่มที่ 1 ประกอบด้วย *B. subtilis* ซึ่งเป็น type
 species ของจีส และ 27 สปีชีส์อื่น ๆ ตัวอย่างเช่น *B. anthracis*, *B. cereus*, *B. medusa*, *B. mycoides*,
B. thuringiensis, *B. atrophaeus*, *B. amyloliquifaciens*, *B. lautus*, *B. lentimorbus*, *B. licheniformis*,
B. popilliae, *B. pumilus*, *B. subtilis*, *B. maroccanus*, *B. simplex* และ *B. psychrosaccharolyticus*.
 กลุ่มที่ 2 ประกอบด้วย *B. fusiformis*, *B. globisporus*, *B. insolitus*, *B. pasteurii*, *B. psychrophilus* และ
B. sphaericus. กลุ่มที่ 3 ประกอบด้วย *B. macerans* และสปีชีส์อื่น ๆ อีก 9 สปีชีส์ กลุ่มที่ 4 ประกอบด้วย
B. laterosporus and *B. brevis* ซึ่งแสดงเส้นสายความสัมพันธ์ ต่างจากแบคทีเรียในจีสเดียวกันเล็กน้อย
 กลุ่มที่ 5 ประกอบด้วย *B. stearothermophilus*, *B. kaustophilus* และ *B. thermoglucosidasius*



ภาพที่ 10 PCR amplification ของ 16S rDNA product ด้วย pA และ pH' primers. Lane 1 : 1Kb DNA Ladder (0.5-1-1.5-2-3-4-5-6-8-10 Kb), Lane 2 : negative control, Lane 3 : positive control, Lane 4 : แบคทีเรีย KM11, Lane 5 : แบคทีเรีย KM13, Lane 6 : แบคทีเรีย KM13(a), Lane 7 : แบคทีเรีย KM14, Lane 8 : แบคทีเรีย NTR6 และ Lane 9 : แบคทีเรีย NTR9



ภาพที่ 11 RFLP patterns ของ 16S rDNA product เมื่อตัดด้วย *Sau3AI* และ *HaeIII*. Lane 1 : 100 bp DNA Ladder (100-200-300-400-500-600-700-800-900-1000-1200-1517 bp), Lane 2 : positive control, Lane 3 : แบคทีเรีย KM11, Lane 4 : แบคทีเรีย KM13, Lane 5 : แบคทีเรีย KM13a, Lane 6 : แบคทีเรีย KM14, Lane 7 : แบคทีเรีย NTR6, Lane 8 : แบคทีเรีย NTR9

1 ttttaaccnttgnccggcgtactccccagggcgtcgacttaacgcgttagctccggaagccacgcctcaagggca
 76 caacctccaagtcgacatcggttacggcgtggactaccagggntatctaactctgttgcctccacgccttcgc
 151 acctgagcgtcagtccttcgtccagggggccgccttcgccaccggnattcctccagatctctacgcatttcaccg
 226 ctacacctggaattctacccccctctacgagactcaagcttgccagtatcagatgcagttcccaggttgagcccg
 301 gggatttcacatctgacttaacaaaccgcctgcgtgcgtttacgccagtaattccgattaacgcttgccacct
 376 ccgttattaccgcggctgctggcacggagttagccgggtgcttctctgcgggtaacgtcaatgagcaaaggtatt
 451 aactttactcccttctccccgctgaaagtactttacaaccgaaggccttctctacacgcggcatggctgca
 526 tcaggcttgcgccattgtgcaatattccccactgctgcctcccgtaggagtctggaccgtgtctcagttccagt
 601 gtggctggctatcctctcagaccagctagggatcgctgcctaggtgagcctttacccacctactagctaacca
 676 tctgggcacatccgatggcaagaggnccgaagggtcccctctttggtctngcgacgttatgcgggtattagctaccg
 751 ttncagtantatcccctcatcaggcagttncanaataatcaccgtcgcantcgtagaaaaagaagctgttctgt
 826 tacgttcaatgcatgtttagcctgcg⁸⁵¹

ภาพที่ 12 ลำดับเบสของ 16S rDNA gene ของ positive control (851 nucleotides) "n" หมายถึง
 Unidentified nucleotides

```

Query: 14      cggccgtactccccaggcggtcgacttaacgcgttagctccggaagccacgcctcaaggg 73
              |||
Sbjct: 211453 cggccgtactccccaggcggtcgacttaacgcgttagctccggaagccacgcctcaaggg 211394

Query: 74      cacaacctccaagtcgacatcgtttacggcggtggactaccagggnatctaatcctgttt 133
              |||
Sbjct: 211393 cacaacctccaagtcgacatcgtttacggcggtggactaccagggnatctaatcctgttt 211335

Query: 134     gctccccacgctttcgacactgagcgtcagtccttcgctccagggggcgcccttcgccaccg 193
              |||
Sbjct: 211334 gctccccacgctttcgacactgagcgtcagtccttcgctccagggggcgcccttcgccaccg 211275

Query: 194     gntattcctccagatctctacgcatttcaccgctacacctggaattctacccccctctac 253
              |||
Sbjct: 211274 g-tattcctccagatctctacgcatttcaccgctacacctggaattctacccccctctac 211216

Query: 254     gagactcaagcttgccagtatcagatgcagttcccagggttagcccggggatttcacatc 313
              |||
Sbjct: 211215 gagactcaagcttgccagtatcagatgcagttcccagggttagcccggggatttcacatc 211156

Query: 314     tgacttaacaaaccgctgctgctgtttacgcccagtaattccgattaacgcttgcacc 373
              |||
Sbjct: 211155 tgacttaacaaaccgctgctgctgtttacgcccagtaattccgattaacgcttgcacc 211096

Query: 374     ctccgttattaccgcggtgctggcacggagttagccggtgcttcttctcgcggttaacgt 433
              |||
Sbjct: 211095 ctccgt-attaccgcggtgctggcacggagttagccggtgcttcttctcgcggttaacgt 211037

Query: 434     caatgagcaaaggtattaactttactcccttctccccgctgaaagtactttacaaccog 493
              |||
Sbjct: 211036 caatgagcaaaggtattaactttactcccttctccccgctgaaagtactttacaaccog 210977

Query: 494     aaggccttcttcatacacgcggcatggctgcatcaggcttgccgccattgtgcaatatte 553
              |||
Sbjct: 210976 aaggccttcttcatacacgcggcatggctgcatcaggcttgccgccattgtgcaatatte 210917

Query: 554     cccactgctgctcccgtaggagtcctggaccgtgtctcagttccagtg-ggctgggtcatc 613
              |||
Sbjct: 210916 cccactgctgctcccgtaggagtcctggaccgtgtctcagttccagtg-ggctgggtcatc 210857

Query: 614     ctctcagaccagctagggatcgctgcctaggtgagcctttacccacctaactagctaata- 672
              |||
Sbjct: 210856 ctctcagaccagctagggatcgctgcctaggtgagcctttacccacctaactagctaatac 210797

Query: 673     ccatctgggacacatccgatggcaagaggnccgaaggt-ccccctctttggctctngcgacgt 731
              |||
Sbjct: 210796 ccatctgggacacatccgatggcaagaggnccgaaggtccccctctttggctctngcgacgt 210737

Query: 732     tatgcggtattagctaccggt 752
              |||
Sbjct: 210736 tatgcggtattagctaccggt 210716

```

ภาพที่ 13 การเปรียบเทียบการเข้าสู่ของลำดับเบสของ positive control isolate และลำดับเบสของ subject sequence; *Escherichia coli* (Accession no. AEO16709)

1 tcttgnegaccgtactccccagggcggagtgcctaagcgtagctgcagcactaaggggcggaacccccctaaca
 76 cttagcactcatcggttacggcgtggactaccagggntatctaatectgtttgctccccacgcttcgcgcctca
 151 gcgtagttacagaccagaaagtcgccttcgccactgggttccctccaaatctctacgcatttcaccgctacact
 226 tggaaattccactttcctctctctgcactcaagtcccccagttccaatgacctccacggnttgagccgtgggctt
 301 tcacatcagacttaaaggaccgcctgcgcgcgctttacgcccaataattccggacaacgcttgccacctacgtat
 376 taccgcggtgctggcacgtagttagccgtggctttctaataaggtagcgtcaaggtagcagccagttactactgt
 451 acttgttcttcccttacaacagagttttacgatccgaaaaccttcttactcagcggcggttgcctcaggt
 526 ttgcccattgtggaagattccctactgctgcctcccgtaggagtctgggcccgtgtctcagtcaccagtgtggccg
 601 atcacctctcaggtcggtacgcacgcgtgccttggtagccgttacctcacaactagctaataatgcgccgcccgg
 676 ccatentatagcgacagccgaaaccgtcttccantcintcgccatgaagnaaagagattattcggtattaccccg
 751 gtttcggagttatccaaactatagggtagggtggccacgtgt⁷⁹²

ภาพที่ 14 ลำดับเบสของ 16S rDNA gene ของแบคทีเรีย isolate NTR9 (792 nucleotides) "n" หมายถึง
 Unidentified nucleotides

```

Query: 7 cgaccgtactccccagggcgagtgcttaaatgcgcttagctgcagcactaagggcggaac 66
      |||
Sbjct:900 cgaccgtactccccagggcgagtgcttaaatgcgcttagctgcagcactaagggcggaac 841

Query: 67 cccctaacacttagcactcatcgctttacggcggtggactaccagggtatctaatcctgtt 126
      |||
Sbjct:840 cccctaacacttagcactcatcgctttacggcggtggactaccagggtatctaatcctgtt 782

Query:127 tgctccccacgctttcgcgccctcagcgctcagttacagaccagaaagtgcgcttcgccact 186
      |||
Sbjct:781 tgctccccacgctttcgcgccctcagcgctcagttacagaccagaaagtgcgcttcgccact 722

Query:187 ggtgttctctccaaatctctacgcattttaccgctacacttggaattccactttctcttc 246
      |||
Sbjct:721 ggtgttctctccaaatctctacgcattttaccgctacacttggaattccactttctcttc 662

Query:247 tgcactcaagtccccagtttccaatgacctccacggnttgagccgtgggctttcacat 306
      |||
Sbjct:661 tgcactcaagtccccagtttccaatgacctccacgg-ttgagccgtgggctttcacat 603

Query:307 cagacttaaaggaccgctgcgcgcgctttacgccaataattccggacaacgcttgcca 366
      |||
Sbjct:602 cagacttaaaggaccgctgcgcgcgctttacgccaataattccggacaacgcttgcca 543

Query:367 cctacgtattaccgcggtgctggcacgtagttagccgtgggctttctaataaggtagcgt 426
      |||
Sbjct:542 cctacgtattaccgcggtgctggcacgtagttagccgtgggctttctaataaggtagcgt 483

Query:427 caaggtagcagccagttactactgtacttgttcttcccttacaacagagttttacgatccg 486
      |||
Sbjct:482 caaggtagcagccagttactactgtacttgttcttcccttacaacagagttttacgatccg 423

Query:487 aaaaccttcttctactcacgcggcggttgctccatcaggctttcgcccattgtggaagattc 546
      |||
Sbjct:422 aaaaccttcttctactcacgcggcggttgctccatcaggctttcgcccattgtggaagattc 363

Query:547 cctactgctgctcccgtaggagtgctgggcccgtgtctcagtcaccagtggtggccgatcacc 606
      |||
Sbjct:362 cctactgctgctcccgtaggagtgctgggcccgtgtctcagtcaccagtggtggccgatcacc 303

Query:607 ctctcaggtcggctacgcacgcgtcgcttggtgagccgttacctcacaaactagctaattg 666
      |||
Sbjct:302 ctctcaggtcggctacgcacgcgtcgcttggtgagccgttacctcacaaactagctaattg 243

Query:667 cgccgcggg-ccatentatagcgacagccgaaaccgtctttcantctntcgccatgaag- 724
      |||
Sbjct:242 cgccgcgggcccacatctatagcgacagccgaaaccgtctttcagtcctttaccatgaagc 183

Query:725 naaagagattattcggtatta-ccccgggtt-ccggagttat-ccaaactatagggtagg 781
      |||
Sbjct:182 naaagagattattcggtatttagccccgggtttcccgagttatcccaagctatagggtagg 123

Query: 782 t 782
      |
Sbjct: 122 t 122

```

ภาพที่ 15 การเปรียบเทียบการเข้าคู่ของลำดับเบสของแบคทีเรีย isolate NTR9 และลำดับเบสของ subject sequence; *Bacillus forisiformis* (Accession no. AY548950)

วิจารณ์ผลการทดลองและสรุป

จากการคัดแยกแบคทีเรียที่มีประสิทธิภาพในการรีดิวส์โครเมตภายใต้สภาวะอุณหภูมิสูง โดยทำการเก็บตัวอย่างดินและน้ำจากโรงงานทอผ้าไหมคำปุ่นในเขตจังหวัดอุบลราชธานี และตัวอย่างดินพรุ จากเขตป่าพรุ จังหวัดพัทลุง สามารถแยกเชื้อบริสุทธิ์ได้ทั้งหมด 17 isolates เมื่อเปรียบเทียบการรีดิวส์โครเมตภายใต้สภาวะมีออกซิเจนและไร้ออกซิเจน พบว่าแบคทีเรียทั้ง 17 isolates ที่คัดแยกได้สามารถรีดิวส์โครเมตได้ทั้งสองสภาวะ แต่แบคทีเรียที่มีประสิทธิภาพในการรีดิวส์ในสภาวะไร้ออกซิเจนสูงกว่าภายใต้สภาวะมีออกซิเจน ยกเว้น isolate NTR11 และ NTR12 จากรายงานของ Shen และ Wang (1993) พบว่าแบคทีเรีย *Escherichia coli* ATCC33456 สามารถรีดิวส์โครเมตได้ทั้งสองสภาวะ แต่อัตราการรีดิวส์ โครเมตภายใต้สภาวะไร้ออกซิเจนสูงกว่าภายใต้สภาวะมีออกซิเจน อย่างไรก็ตามมีรายงานว่าแบคทีเรียบางชนิดรีดิวส์โครเมตภายใต้สภาวะมีออกซิเจนเท่านั้น ตัวอย่างเช่น *Pseudomonas putida* PRS2000 (Ishibashi et al., 1990), *Pseudomonas ambigua* G-1 (Suzuki et al., 1992), *Pseudomonas aeruginosa* HPO14 (Oh and Choi, 1997), *P. putida* MK1 (Park et al., 2000), *Bacillus* sp. และ *Pseudomonas fluorescens* LB300 (Wang and Xiao, 1995), *Bacillus subtilis* (Garbisu et al., 1998) และแบคทีเรียบางชนิดรีดิวส์โครเมตภายใต้สภาวะไร้ออกซิเจนเท่านั้น เช่น *Enterobacter cloacae* HO1 (Wang et al., 1990) และ *Microbacterium* sp. MP30 (Pattanapitpaisal et al., 2001a, Pattanapitpaisal et al., 2001b)

เมื่อนำมาศึกษา pH และอุณหภูมิที่เหมาะสมในการรีดิวส์โครเมต พบว่า pH และอุณหภูมิที่เหมาะสมในการรีดิวส์โครเมตจะเป็นสภาวะที่เหมาะสมของเซลล์ด้วยเช่นกัน นั่นคือแบคทีเรีย isolate NTR 9 สามารถเจริญและรีดิวส์โครเมตได้ในช่วง pH 6-9 และช่วงอุณหภูมิ 30-55 °C โดย pH และอุณหภูมิที่เหมาะสมในการรีดิวส์โครเมตที่สุดคือ pH 7 และอุณหภูมิ 40 °C ตามลำดับ ซึ่งแตกต่างจากแบคทีเรียชนิดอื่นคือการรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรีย *Enterobacter cloacae* HO1 พบที่ pH 6.0-8.5 และที่อุณหภูมิ 20-40 °C โดย pH และอุณหภูมิที่เหมาะสมในการรีดิวส์โครเมตที่สุดคือ pH 7 และ 30 °C ตามลำดับ (Komori et al., 1989, Wang, et al., 1989) สำหรับการรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรีย *Escherichia coli* ATCC33456 พบที่ pH 3.0-8.0 และที่อุณหภูมิ 10-45 °C โดย pH และอุณหภูมิที่เหมาะสมในการรีดิวส์โครเมตที่สุดคือ pH 7 และ 36 °C ตามลำดับ (Bopp and Ehrlich, 1988, Shen and Wang, 1993) ขณะที่การรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรีย *Bacillus* sp. พบที่ pH 7 และ 30 °C (Wang and Xiao, 1995)

จะเห็นได้ว่าแบคทีเรียส่วนใหญ่รีดิวส์โครเมตได้ดีที่อุณหภูมิประมาณ 30 °C แต่แบคทีเรีย isolate NTR9 เป็นแบคทีเรียที่สามารถเจริญและรีดิวส์โครเมตได้ที่อุณหภูมิสูง จึงเป็นแบคทีเรียทนอุณหภูมิสูงที่มีประสิทธิภาพในการรีดิวส์โครเมต นอกจากนี้ยังพบว่าการรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรีย isolate NTR9 จะขึ้นอยู่กับความหนาแน่นของเซลล์เริ่มต้น นั่นคือเมื่อเพิ่มความหนาแน่นของเซลล์เริ่มต้น ประสิทธิภาพในการ

รีดิวส์โครเมตจะเพิ่มขึ้นด้วย เช่นเดียวกับเชื้อ *E. cloacae* HOI (Wang, et al., 1989) *Bacillus* sp. และ *Pseudomonas fluorescens* (Wang and Xiao, 1995) *E. coli* ATCC33456 (Shen and Wang, 1994), , *Agrobacterium radiobacter* EPS-916 (Llovera et al., 1993)

เมื่อนำมาศึกษาชนิดของแบคทีเรีย isolate NTR9 โดยใช้ universal primer (Primer pA และ pH') (Edward et. al., 1989) ในการเพิ่มจำนวน rDNA fragment จากแบคทีเรีย isolate NTR9 ในปฏิกิริยา polymerase chain reaction ได้ PCR product ขนาดเดียวกับ 16S rRNA gene เมื่อนำไปทำการ sequencing ด้วย primer 943 reverse, one direction ทำให้ได้ลำดับเบสประมาณ 45-50% ของ 16S rDNA sequence จากการเปรียบเทียบจากฐานข้อมูลพบว่าลำดับเบสของแบคทีเรีย isolate NTR9 สอดคล้องกับลำดับเบสของ *Bacillus fusiformis* 16S rRNA gene ถึง 98% ดังนั้นจึงสรุปว่า NTR9 เป็นแบคทีเรีย *Bacillus fusiformis* NTR9

แบคทีเรียทนอุณหภูมิสูงที่มีประสิทธิภาพในการรีดิวส์โครเมต ยังไม่มีการศึกษาวิจัยมาก่อน งานวิจัยเกี่ยวกับแบคทีเรียรีดิวส์โครเมตที่มีการตีพิมพ์เผยแพร่ส่วนใหญ่เป็นแบคทีเรียที่รีดิวส์โครเมตได้ดีที่อุณหภูมิประมาณ 30 °C งานวิจัยนี้จึงเป็นข้อมูลเบื้องต้นในการศึกษาเพื่อนำแบคทีเรียทนอุณหภูมิสูงที่คัดเลือกได้นี้ไปประยุกต์ใช้ในการบำบัดน้ำทิ้งที่มีการปนเปื้อนของโครเมตในสภาวะแวดล้อมที่มีอุณหภูมิสูงต่อไป

เอกสารอ้างอิง

- Ash, C., J.A.E. Farrow, S. Wallbanks and M.D. Collins. (1991) Phylogenetic heterogeneity of the genus *Bacillus* revealed by comparative analysis of small-subunits-ribosomal RNA sequences. *Lett. Appl. Microbiol.* 13: 202-206.
- Bopp, L.H. and H.L. Ehrlich. 1988. Chromate resistance and reduction in *Pseudomonas fluorescens* strain LB300. *Arch. Microbiol.* 155: 4426-4431.
- Beliles, R.P. 1979. The lesser metals pp.547-616. In *Toxicity of Heavy Metals in the Environment*. 2 nd edited by Oehme, F.W. Marcel Dekker Inc. New York.
- Burrows, D. (1983) *Chromium-Metabolism and Toxicity*. CRC Press Inc. London.
- Cervantes, C. and S. Silver. 1992. Plasmid chromate resistance and chromate reduction. *Plasmid*. 27: 65-71.
- Claus, D. and R.C.W. Berkeley. (1986) The genus *Bacillus* pp.1105-1139. In *Bergey's Manual of Systematic Bacteriology vol.2* edited by Sneath, P.H.A., N.S. Mair, M.E. Sharpe, and J.G. Holt. The Williams and Williams Company. Baltimore.
- Garbisu, C., I. Alkorta, M.J. Llama and J.L. Serra. 1998. Aerobic chromate reduction by *Bacillus subtilis*. *Biodegradation*. 9: 133-141.
- Gibb, H.J., P.S.J. Lees, P.F. Pinsky and B.C. Rooney. 2000. Lung cancer among workers in chromium chemical production. *American J. Ind. Med.* 38: 115-126.
- Ishibashi, Y., C. Cervantes and S. Silver. 1990. Chromium reduction in *Pseudomonas putida*. *Appl. Environ. Microbiol.* 56: 2268-2270.
- Komori, K., P. Wang, K. Toda, and H. Ohtake. 1989. Factors affecting chromate reduction in *Enterobacter cloacae* HO1. *Appl. Microbiol. Biotechnol.* 31: 567-570.
- Langard, S. 1982. *Biological and Environmental Aspects of Chromium*. Elsevier Biomedical Press. New York.
- Llovera, S., R. Bonet, M.D. Simon-Pujol, and F. Congregado. 1993. Chromate reduction by resting cells of *Agrobacterium radiobacter* EPS-916. *Appl. Environ. Microbiol.* 59: 3515-3519.
- Oh, Y.S. and S.C. Choi. 1997. Reduction of hexavalent chromium by *Pseudomonas aeruginosa* HPO14. *J. Microbiol.* 35: 25-29.
- Park, C.H., M. Keyhan, B. Wielinga, S. Fendorf and A. Martin. 2000. Purification to homogeneity

- and characterisation of a novel *Pseudomonas putida* chromate reductase. *Appl. Environ. Microbiol.* 66: 1788-1795.
- Pattanapitpaisal, P., N.L. Brown and L.E. Macaskie. 2001a. Chromate reduction by *Microbacterium liquefaciens* immobilised in polyvinyl alcohol. *Biotechnol. Lett.* 23: 61-65.
- Pattanapitpaisal, P., N.L. Brown and L.E. Macaskie. 2001b. Chromate reduction and 16S rRNA identification of bacteria isolated from a Cr(VI)-contaminated site. *Appl. Microbiol. Biotechnol.* 57: 257-261.
- Patterson, J.W. 1985. *Industrial Wastewater Treatment Technology*. Butterworth Publishers. Stoneham.
- Pederson, N.B. 1982. The effects of chromium on the skin pp.249-276. In *Biological and Environmental Aspects of Chromium* edited by Langard, S. Elsevier. New York.
- Petrilli, F.L. and S. De Flora. 1977. Toxicity and mutagenicity of hexavalent chromium on *Salmonella typhimurium*. *Appl. Environ. Microbiol.* 33: 805-809.
- Shamberger, R.J. (1979) Beneficial effects of trace elements pp: 689-696. In *Toxicity of Heavy Metals in the Environment: Part 2* edited by F.W. Oehme. Marcel Dekker Inc. New York.
- Shen, H. and Y.T.Wang. 1993. Characterisation of enzymatic reduction of hexavalent chromium by *Escherichia coli* ATCC 33456. *Appl. Environ. Microbiol.* 59: 3771-3777.
- Shen, H. and Y.T.Wang. 1994. Biological reduction of chromium by *E. coli*. *J. Environ. Eng.* 120: 560-572.
- Suzuki, T., N. Miyata, H. Horitsu and K. Kawai. 1992. NAD(P)H-dependent chromium(VI) reductase of *Pseudomonas ambigua* G-1: a Cr(V) intermediate is found during the reduction of Cr(VI) to Cr(III). *J. Bacteriol.* 174: 5340-5345.
- Wang, P., T. Mori, K. Toda and H. Ohtake. 1990. Membrane-associated chromate reductase activity from *Enterobacter cloacae*. *J. Bacteriol.* 172: 1670-1672.
- Wang, Y. and C. Xiao. 1995. Factors affecting hexavalent chromium reduction in pure cultures of bacteria. *Wat. Res.* 24: 2467-2474.

ประวัติผู้วิจัย

1. ชื่อ : ผศ. ดร. ปราณี พัฒนพิพิธไพศาล

Assist. Prof. Dr. Pranee Pattanapitpaisal

2. ตำแหน่งปัจจุบัน : ผู้ช่วยศาสตราจารย์

3. หน่วยงานที่ติดต่อได้ : ภาควิชาวิทยาศาสตร์ชีวภาพ คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยอุบลราชธานี

อำเภอวารินชำราบ จังหวัด อุบลราชธานี รหัสไปรษณีย์ 34190

โทรศัพท์: 045-433110-2 ต่อ 4228 โทรสาร: 045-288380

4. ประวัติการศึกษา

ปริญญาตรี: ชีววิทยา สถาบัน: มหาวิทยาลัยศรีนครินทรวิโรฒ บางแสน

ปีที่สำเร็จการศึกษา: 2527 คะแนนเฉลี่ยสะสม: 2.86

หัวข้อสารนิพนธ์: ผลของอัลตรีนและกรัมม็อกโซนต่อการเจริญของเชื้อ *Aeromonas hydrophila*

ปริญญาโท: จุลชีววิทยา สถาบัน: มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์

ปีที่สำเร็จการศึกษา: 2531 คะแนนเฉลี่ยสะสม: 3.78

หัวข้อวิทยานิพนธ์: การศึกษาส่วนของเอนไซม์ย่อยแบ่งจากเชื้อราที่ทนอุณหภูมิสูง

ปริญญาเอก: Biological Sciences สถาบัน: The University of Birmingham

ปีที่สำเร็จการศึกษา: 2544 คะแนนเฉลี่ยสะสม: (research)

หัวข้อวิทยานิพนธ์: Bioreduction of chromate and detection of chromate resistance genes in Gram-positive and Gram-negative bacteria

5. สาขาวิชาการที่มีความชำนาญพิเศษ : การบำบัดวัตถุมีพิษ/ของเสียโดยจุลินทรีย์ พันธุศาสตร์แบคทีเรีย และเอนไซม์เทคโนโลยี

6. ประสบการณ์ที่เกี่ยวข้องกับการวิจัย

6.1 ผู้ร่วมวิจัย: ชื่อโครงการวิจัย Characterisation of transposable elements of the actinomycete *Rhodococcus*. โดยทำงานวิจัยที่ F.A. Janssens Laboratory of Genetics, Faculty of Agricultural and Applied Biological Sciences, Katholieke University Leuven. ประเทศเบลเยียม เมื่อ พ.ศ.- ล.ศ. 3539

6.2 ผลงานวิจัยตีพิมพ์เผยแพร่ :

ปราณี พัฒนพิพิธไพศาล. 2545. การลดความเป็นพิษของโครเมียมโดยแบคทีเรีย. วารสารวิชาการ ม.อบ. 2: 30-35 โรงพิมพ์มหาวิทยาลัยอุบลราชธานี อุบลราชธานี.

ปราณี พัฒนพิพิธไพศาล. 2547. การคัดแยกแบคทีเรียเจริญที่อุณหภูมิสูงที่มีประสิทธิภาพในการรีดิวส์โครเมต. วารสารวิชาการ ม.อบ. 6: 53-63. โรงพิมพ์มหาวิทยาลัยอุบลราชธานี

อุบลราชธานี.

- Badar, U., N. Ahmed, A. J. Beswick, P. Pattanapitpaisal and L. E. Macaskie. 2000. Reduction of chromate by microorganisms isolated from metal contaminated sites of Karachi, Pakistan. *Biotechnol. Lett.* 22: 829-836.
- De Mot R., I. Nagy, A. De Schrijer, P. Pattanapitpaisal, G. Schoofs and J. Vanderleyden. 1997. Structural analysis of the 6-kb cryptic plasmid pFAJ2600 from *Rhodococcus erythropolis* N186/21 and construction of *Eschericia coli* - *Rhodococcus* shuttle vectors. *J. Microbiol.* 143: 3137-3147.
- Pattanapitpaisal, P., N. L. Brown and L. E. Macaskie. 2001. Chromate reduction and 16S rRNA identification of bacteria isolated from a Cr(VI) contaminated site. *Appl. Microbiol. and Biotechnol.* 57: 257-261.
- Pattanapitpaisal, P., N. L. Brown and L. E. Macaskie. 2001. Chromate reduction by *Microbacterium liquefaciens* immobilised in polyvinyl alcohol. *Biotechnol. Lett.* 23: 61-65.
- Pattanapitpaisal, P., A. N. Mabbett, J. A. Finlay, A. J. Beswick, M. Paterson-Beedle, A. Essa, J. Wright, M. R. Tolley, U. Badar, N. Ahamed, J. L. Hobman, N. L. Brown and L. E. Macaskie. 2002. Reduction of Cr (VI) and Bioaccumulation of Chromium by Gram-positive and Gram-negative Microorganisms not previously exposed to Cr-stress. *Environ. Technol.* 23: 731-745.

6.3 Proceeding :

- Pattanapitpaisal, P., J. L. Hobman, N. L. Brown and L. E. Macaskie. 2001. Bioreduction of Cr(VI) by *Microbacterium* sp. isolated from tannery waste and used of immobilised cells for continuous removal of Cr(VI). Proceeding of the International Biohydrometallurgy Symposium, Brazil, September.

6.4 งานวิจัยที่ได้รับทุนสนับสนุน :

- 1). โครงการวิจัยเรื่อง การคัดเลือกแบคทีเรียทนอุณหภูมิสูงที่สร้างเอนไซม์ไลเปส ทุนสนับสนุนการทำวิจัยเงินรายได้มหาวิทยาลัยอุบลราชธานี ประจำปีงบประมาณ พ. ศ. 2546 (1 พ.ค. 46 – 30 เม.ย. 47)
สถานภาพในการทำวิจัย : หัวหน้าโครงการวิจัย
การดำเนินการ : ดำเนินการเสร็จสมบูรณ์และส่งรายงานแล้ว
- 2) โครงการวิจัยเรื่อง การรีดิวส์โครเมตโดยแบคทีเรียทนอุณหภูมิสูง ทุนอุดหนุนจากเงินงบประมาณ

เพื่อการวิจัยประจำปีงบประมาณ พ. ศ. 2547 (1 ต.ค. 46 – 30 ก.ย. 47)

สำนักงานคณะกรรมการวิจัยแห่งชาติ

สถานภาพในการทำวิจัย : หัวหน้าโครงการวิจัย

การดำเนินการ : อยู่ระหว่างดำเนินการ

- 3) โครงการวิจัยเรื่อง การรีดิวส์โครเมตโดยเซลล์และเอนไซม์โครเมตรีดักเตสที่ถูกตรึง ทุนอุดหนุน
จากเงินงบประมาณเพื่อการวิจัยประจำปีงบประมาณ พ. ศ. 2548 (1 ต.ค. 47 – 30 ก.ย. 48)

สำนักงานคณะกรรมการวิจัยแห่งชาติ

สถานภาพในการทำวิจัย : หัวหน้าโครงการวิจัย

การดำเนินการ : อยู่ระหว่างดำเนินการ